Università degli Studi di Messina
DIPARTIMENTO DI PATOLOGIA UMANA DELL'ADULTO E DELL'ETÀ EVOLUTIVA "GAETANO BARRESI"
(*Direttore: prof. Giuseppe Navarra*)

Al Direttore
del Dipartimento di Patologia Umana
dell'Adulto e dell'età evolutiva "G. Barresi"

Al Segretario Amministrativo
del Dipartimento di Patologia Umana
dell'Adulto e dell'età evolutiva "G. Barresi"

Oggetto: avviso per la fornitura di n. 1 NextSeq™ 550 Sequencing System

La sottoscritta Prof.ssa Gabriella Di Rosa, Professore Associato SSD/MED39, in servizio presso questo Dipartimento, con la presente richiede l'acquisto del bene in oggetto.

La sottoscritta dichiara sotto propria responsabilità che l'acquisto in oggetto si rende necessario per esigenze di ricerca.

L'importo a base d'asta ammonta ad € 295.901,00+ iva e la relativa spesa graverà sui fondi del Progetto Disturbo di Spettro Autistico: ricerca di biomarcatori genetici per personalizzare le terapie esistenti e sviluppo di nuove terapie farmacologiche e riabilitative"- di cui la sottoscritta Prof.ssa Gabriella Di Rosa è Responsabile Scientifico e che presenta la necessaria copertura di budget economico.
Questo Dipartimento intende avviare una consultazione allo scopo di informare il mercato circa le proprie intenzioni di acquisto di n. 1 Sequenziatore di nuova generazione :
NextSeq™ 550 Sequencing System,
invitando gli operatori economici a presentare offerte congruente per tale acquisto

Per l'attrezzatura indicata le motivazioni di infungibilità sono quelle riportate di seguito:

- Sistema per la scansione dei chip microarray e sequenziamento NGS in un'unica piattaforma strumentale;
- Protocolli di sequenziamento supportati di tipo "Single End" e "PairedEnd" con amplificazione clonale

completamente automatizzati all'interno dello strumento stesso, senza l'ausilio di strumenti accessori (anche aut omatizzati);
- Possibilità di impostare la lunghezza delle letture di sequenziamento a priori;
- Produttività di almeno 100 Gbasi con protocollo "Paired end", espressa in termini di Giga basi per singola seduta sperimentale, e ottenibile con unico strumento;
- Sistema adatto all'esecuzione di test di sequenziamento per analisi di mutazione di pannelli genici, di trascrittomi e analisi di esomi e genomi (produttività ≥ 90 Gb per corsa), epigenetiche, ed analisi metagenomica;
- Sistema adatto per analisi di campioni estratti da tessuti freschi, tessuti FFPE e congelati, campioni citologici e su acidi nucleici liberi circolanti, anche di esigua quantità;
- Fornitura di sistema di stabilizzazione/raddrizzamento UPS a garanzia di funzionamento dell'attrezzatura;

^^^

- Capacità di generare lunghezza delle reads non inferiore a 200 bps;
- Possibilità di impostare la lunghezza delle letture di sequenziamento a priori;
- Qualità e accuratezza dei dati basati su Q30;
- Software di analisi primaria e secondaria integrato nel sequenziatore.

Messina, 04/12/2021

Cordiali saluti

Prof. ssa Gabriella Di Rosa

Il titolare dei fondi
(se diverso dal richiedente)

^^^