

MODELLO EUROPEO PER IL  
CURRICULUM VITAE



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome **GRAZIA GALEANO**  
Indirizzo  
Telefono  
E-mail  
Sesso  
Nazionalità  
Data di nascita

ESPERIENZA LAVORATIVA

- 24/01/2019-24/05/2022 **Borsista di Ricerca**  
Nell'ambito del programma di Dottorato di Ricerca in Scienze Veterinarie XXXIV° ciclo, presso il laboratorio dell'Unità di Genomica animale del Dipartimento di Scienze Veterinarie dell'Università degli Studi di Messina
- 18/11/2019-2/12/2019 **Visiting Resercher**  
presso il "College of Veterinary Medicine, South China Agricultural University, Wushan Road, Tianhe District, Guangzhou, nell'ambito del programma di Dottorato di Ricerca in Scienze Veterinarie
- 10/03/2018-22/12/2018 **Attività di studio e di ricerca post laurea**  
presso il laboratorio di Genetica del Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali dell'Università degli Studi di Messina.
- 2016- 2018 **Tirocinio Universitario:**  
Internato presso il laboratorio di Genetica del Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali dell'Università degli Studi di Messina, per lo svolgimento della tesi sperimentale in Bioinformatica per l'analisi genetica.

## ESPERIENZE INERENTI ALL'ATTIVITÀ DIDATTICA

06/05/2022

### **Attività Didattica**

Attività di esercitazioni pratiche di laboratorio riguardante il seguente argomento "Metodi di identificazione fenotipica mediante analisi microscopica di microrganismi eucariotici" della durata di n° 5 ore, nell'ambito del progetto PCTO "Insieme per nuovi orizzonti" attuato dal Dipartimento di ChiBioFarAm dell'Università degli Studi di Messina con l'Istituto d'Istruzione Superiore "Borghese Faranda", Patti (ME)

28/04/2022

### **Attività Didattica**

Lezione dal titolo "Microrganismi eucariotici: i funghi microscopici nell'ambiente e nelle infezioni" della durata di n° 2 ore nell'ambito del progetto PCTO "Insieme per nuovi orizzonti" attuato dal Dipartimento di ChiBioFarAm dell'Università degli Studi di Messina con l'Istituto d'Istruzione Superiore "Borghese Faranda", Patti (ME)

## ISTRUZIONE E FORMAZIONE

24/05/2022

### **Dottorato di Ricerca in Scienze Veterinarie**

Università degli Studi di Messina, Messina (Italia)

Titolo tesi: " Caratterizzazione del microbiota intestinale nell'Asino Ragusano"

Voto: **ottimo con lode**

2018

### **Abilitazione Professionale Biologo**

Università degli Studi di Messina, Messina (Italia)

Voto:**150/200**

08/03/2018

### **Laurea Magistrale in Biologia LM-6**

Università degli Studi di Messina, Messina (Italia)

Tesi in Bioinformatica per l'analisi genetica: "Genotipizzazione dei ceppi clinici ed ambientali di *Candida tropicalis* mediante sequenziamento multigenico"

Voto: **110/110 cum laude**



27/07/2015

**Laurea Triennale in Scienze Biologiche L-13**

Università degli Studi di Messina, Messina (Italia)

Tesi in Fisiologia: "AMPK: Regolazione e controllo del metabolismo energetico"

Voto: **101/110**

2001

**Maturità Classica**

Liceo Classico Statale "M. Amari", Giarre

Voto: **76/100**

**CAPACITÀ E COMPETENZE  
PERSONALI**

MADRELINGUA

**Italiana**

ALTRE LINGUE

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale

**Inglese**

Buona

Buona

Buona

**CAPACITÀ E COMPETENZE  
RELAZIONALI E ORGANIZZATIVE**

Capacità empatiche e di ascolto con una buona predisposizione ai rapporti con gli altri.

Buona attitudine al lavoro in team.

Ottima flessibilità al lavorare in diversi settori scientifico disciplinari con persone e gruppi diversi, competenza acquisita grazie alle collaborazioni multidisciplinari in ambito accademico.

Buone competenze gestionali per il lavoro in laboratorio e di problem solving.

Buone capacità di pianificazione e di organizzazione del lavoro in modo tale da portare a termine gli obiettivi e rispettare le scadenze. Svolgo le attività sperimentali assegnatemi in modo autonomo ed ho esperienza nella gestione di piccoli gruppi di lavoro.



**CAPACITÀ E COMPETENZE  
TECNICHE**

Buone conoscenze relative alle metodologie in Microbiologia e Micologia sia a livello di tecniche di base classiche che di tipo molecolare.

Tecniche di microbiologia classica: coltivazione di cellule fungine e batteriche. Preparazione di terreni di coltura, semplici, complessi e selettivi.

Identificazione di microrganismi mediante analisi fenotipiche, biochimiche e sierologiche. Riconoscimento fenotipico di muffe, studio della sensibilità in vitro agli antimicrobici.

Tecniche d'identificazione e determinazione di microrganismi aerodispersi mediante campionamento attivo con Surface Air System (SAS) e MD8 per il monitoraggio microbiologico per la valutazione della qualità dell'aria.

Tecniche microbiologiche per il controllo e la qualità di campioni d'acqua mediante filtrazione con apparati filtranti, conta microbica su filtro, identificazione dei principali microrganismi indicatori di contaminazione quali coliformi totali e fecali, streptococchi fecali, *Pseudomonas aeruginosa*, *Legionella pneumophila*.

Tecniche microbiologiche per il controllo della carica microbica di superfici tramite il campionamento con piastre da contatto rodac e tamponi con liquido isotonic sterile.

Tecniche di biologia molecolare: estrazione di acidi nucleici da campioni ambientali e clinici quali feci, sangue, tessuti. Amplificazione in vitro del DNA (PCR). Tecniche di purificazione di acidi nucleici batterici e fungini da campioni ambientali e clinici.

Tecniche di sequenziamento standard di Sanger.

Tecniche bioinformatiche: analisi bioinformatiche dei dati NGS applicate allo studio dei microbiomi, analisi di elettroferogrammi, tecniche di genotipizzazione MLST (Multi Locus Sequence Typing).

**COMPETENZE INFORMATICHE**

Ottima padronanza di utilizzo dei principali software di grafica, elaborazione dati, analisi statistica e gestione bibliografica. (Photoshop, SPSS, GraphPad, ImageJ, suite Microsoft Office). Conoscenza e utilizzo di database, software e web server per il disegno e l'analisi di sequenze nucleotidiche.

**PATENTE**

B



## **PARTECIPAZIONE A CONGRESSI E CORSI FORMATIVI**

Partecipazione al 20° Congresso ISHAM (International Society for Human and Animal Micology) Netherlands, 30Giugno - 4Luglio/ 2018

Partecipazione al corso: "Le nuove frontiere del sequenziamento NGS: tecnologie e prodotti a confronto" Catania, 18Maggio/ 2017

Partecipazione al 6° Congresso ISHAM (International Society for Human and Animal Micology) "Working Groups on Black Yeast and Chromoblastomycosis Viterbo, 15- 17Settembre/ 2016

Partecipazione al corso: "Next Generation Sequencing and Bioinformatics: Methods, Tools and Applications in Basic Research, Clinical Diagnostics and Much More" Messina, 27- 28 Maggio 2016



**PROCEEDING SU ATTI DI  
CONVEGNO**

- 2022                    **EXPLORING THE FECAL MICROBIOTA OF RAGUSANO DONKEY**  
V. Florida, G. Galeano, L. Giuffrè, A. Zumbo, O. Romeo, E. D'Alessandro  
75° Congresso SISVET (Società Italiana delle Scienze Veterinarie) Lodi, 15-18 giugno  
2022 (Atti Congressuali In Press)
- 2018                    **Molecular surveillance of healthcare-associated Candida infection in  
rehabilitation center for patients with severe acquired brain injuries.**  
F. Scordino, G. Galeano, M.G. Orlando, G. Barberi, D. Giosa, L. Giuffrè, F. Marino  
Merlo, G. Criseo, O. Romeo  
20° Congresso ISHAM (International Society for Human and Animal Micology)  
Netherlands, 30Giugno - 4Luglio/ 2018 (Atti Congressuali In Press)

**ARTICOLI SU RIVISTE  
INTERNAZIONALI**

- 17/06/2022            Dougue AN, El-Kholy MA, Giuffrè L, Galeano G, D'Aleo F, Kountchou CL,  
NangwatC, Paul DJ, Giosa D, Pernice I, Shawky SM, Ngouana TK, Boyom FF,  
Romeo O. Multilocus sequence typing (MLST) analysis reveals many novel  
genotypes and a high level of genetic diversity in *Candida tropicalis* isolates  
from Italy and Africa. *Mycoses*. 2022 Jun 17. doi: 10.1111/myc.13483. Epub  
ahead of print. PMID:35713604.
- 12/09/2021            Letterio Giuffrè, Domenico Giosa, Grazia Galeano, Riccardo Aiese Cigliano,  
Andreu Paytuví-Gallart, Anna Maria Sutera, Giuseppe Tardiolo, Alessandro  
Zumbo, Orazio Romeo & Enrico D'Alessandro (2021) Whole-metagenome  
shotgun sequencing of pig faecal microbiome, *Italian Journal of Animal Science*,  
20:1, 1147-1155, DOI: 10.1080/1828051X.2021.1952910
- 18/08/2021            Wang X, Chen Z, Murani E, D'Alessandro E, An Y, Chen C, Li K, Galeano G,  
Wimmers K, Song C. A 192 bp ERV fragment insertion in the first intron of  
porcine TLR6 may act as an enhancer associated with the increased  
expressions of TLR6 and TLR1. *Mob DNA*. 2021 Aug 18;12(1):20.  
doi:10.1186/s13100-021-00248w. PMID: 34407874; PMCID: PMC8375133



1

*Dichiaro che le informazioni riportate nel presente Curriculum Vitae sono esatte e veritiere. Autorizzo al trattamento dei dati personali, secondo quanto previsto dalla Legge 196/03.*

*Data: Messina, 29/06/2022*

*Firma*

