

ORAZIO ROMEO, PhD

INFORMAZIONI PERSONALI

Nazionalità: Italiana

Luogo di nascita: Reggio Di Calabria

CF:RMORZO78D28H224F

ORCID number: 0000-0001-5093-2525 (<http://orcid.org>)

SCOPUS ID: 24068965100

Dal 08/01/2024 ad oggi. Professore Ordinario di Genetica (SSD: Bio/18), Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali – Università di Messina.

Dal 07 Aprile 2022 ad oggi. Componente della Commissione AQ-Ricerca, Didattica, Terza Missione (AQ-RDTM) del Dipartimento ChiBioFarAm (Prot. n. 0045740 del 07/04/2022).

Dal 03 Agosto 2021 ad oggi. Componente della Commissione Dipartimentale per la Ricerca. Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali – Università di Messina (Prot. n. 0097562 del 3/8/2021).

Dal 08/11/2021 al 07/01/2024. Professore Associato di Genetica (SSD: Bio/18), Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali – Università di Messina.

Luglio 2023. Componente del Comitato Tecnico Ordinatore per il nuovo Corso di Studio Triennale in “Marine Science and Blue Biotechnologies”, (classe L13 - Scienze Biologiche) (Prot. n. 0094917 del 17/07/2023).

Giugno 2023. “Visiting Professor” presso la “Ben Gurion University, Be’er Sheva, Israel (Programma Erasmus+ KA107/KA171 per attività combinata docenza e formazione STA+STT).

Dal 2019 al 2022. “Visiting Professor” presso la “The Third Affiliated Hospital of the Sun Yat-sen University”, Guangzhou, China.

Dal 08/11/2018 al 07/11/2021. Ricercatore Senior (RTD-b; art. 24 c. 3 legge 240/2010) in Genetica (SSD: Bio/18), Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali – Università di Messina.

Luglio 2019. Rappresentante dei Ricercatori a tempo determinato in seno al Senato Accademico dell’Università di Messina (biennio 2019-2021).

Aprile 2019. “Visiting Professor” presso la “University of Moulay Ismail, Faculty of Science, Department of Biology”, Meknés, Marocco (ERASMUS+ KA107 per attività di Docenza - STA).

Novembre 2014-2018. “Principal Investigator”, IRCCS Centro Neurolesi Bonino-Pulejo – progetto "Giovani ricercatori 2011-2012" finanziato dal Ministero della Salute. Codice Progetto GR-2011-02347606.

Novembre 2018. Componente della commissione giudicatrice per gli esami finali di Dottorato del Dr. Leandro Moreno, “Institute for Biodiversity and Ecosystem Dynamics (IBED)” - University of Amsterdam, 15 Novembre 2018, Amsterdam, The Netherlands.

Dal 10/10/2012 al 07/11/2018. Ricercatore a tempo determinato (ex art. 1, comma 14, legge 230/2005) in Genetica (SSD: Bio/18), Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali – Università di Messina.

Maggio 2017. Membro del Collegio dei Docenti del corso di Dottorato di Ricerca in Biotecnologie Mediche e Chirurgiche (Ciclo XXXIII) - DOT1314013.

Dal 2017. Membro della Comunità Scientifica di Riferimento della Stazione Zoologica Anton Dohrn, Napoli.

Curriculum Vitae et Studiorum

Febbraio 2016. Componente del Comitato Scientifico della Fondazione Italiana Biologi (sede legale, via Icilio 7 – 00153 Roma).

Settembre 2013 e Aprile 2021. Membro del Collegio dei Docenti del corso di Dottorato di Ricerca in Biologia Applicata e Medicina Sperimentale (Cicli XXIX e XXXVII) - DOT1314952.

Marzo 2013. Componente della Commissione Nazionale di Studio in "Microbiologia, Virologia e Biologia Molecolare" dell'Ordine Nazionale dei Biologi - Roma.

Dicembre 2010. Corso di Formazione per Docenti, Dirigenti e Ricercatori in materia di sicurezza ed igiene sul lavoro in applicazione dell'art. 37 D. Lgvo 81/08 così come modificato dal D. Lgvo 106/09.

Aprile 2010. Dottore di Ricerca in "Biotecnologie Microbiche e della proliferazione cellulare (corso di dottorato XXII ciclo); curriculum: biotecnologie microbiche"; Facoltà di Medicina e Chirurgia - Università di Messina.

Maggio 2008. 8th BioSapiens European School of Bioinformatics. European Bioinformatics Institute, (EMBL-EBI) - Cambridge Outstation, Hinxton, Cambridge, UK.

Aprile 2007. Borsa di studio per il 6° Corso di formazione avanzata: "Predizione Molecolare e Bioinformatica in Ematologia e Oncologia". Collegio Ghislieri - Centro per la Comunicazione e la Ricerca – in collaborazione con l'Università degli studi di Pavia, 16-20 Aprile, Pavia.

Febbraio 2007. Master in Tecnologie Bioinformatiche applicate alla Medicina Personalizzata. Sardegna Ricerche, Pula, Cagliari in collaborazione con il CRS4 (Center for Advanced Studies, Research and Development in Sardinia). Tesi di Master: Caratterizzazione strutturale delle proteine p73 e ITCH e loro coinvolgimento nel processo di ubiquitinizzazione; svolta all' Università degli Studi di Roma 'La Sapienza' (Tutor: Prof. Anna Tramontano).

Settembre 2006 – Febbraio 2007. Master Stage presso il laboratorio di Bioinformatica – Tutor Prof. Anna Tramontano. Dipartimento di scienze Biochimiche – A. Rossi Fanelli - Università degli Studi di Roma 'La Sapienza'.

Luglio 2005: Abilitazione alla professione di Biologo; Iscritto all'Ordine Nazionale dei Biologi (Roma) in data: 21/03/2013, matricola: EA_020439.

Marzo 2005. Laurea Magistrale in Scienze Biologiche (vecchio ordinamento) con votazione di 110/110 e lode. Facoltà di scienze Matematiche, Fisiche e Naturali Università di Messina (Italy).

ATTIVITÀ DIDATTICA (Estero)

- **A.A. 2022/2023.** Attività di docenza presso la "Ben-Gurion University of the Negev – Department of Biotechnology Engineering and The Ilse Katz Center for Nanoscale Science and Technology, Be'er Sheva, Israel; Titolo della lezione: "Microbial genomics, Bioinformatics and Big data analysis" (2h).
- **A.A. 2022/2023.** Attività di docenza presso la "Ben-Gurion University of the Negev – Department of Biotechnology Engineering and The Ilse Katz Center for Nanoscale Science and Technology, Be'er Sheva, Israel; Titolo della lezione: "Metagenomics and Its Application in Environmental Microorganisms" (2h).
- **A.A. 2018/2019.** Docente del corso: "Microbial Genomics and Bioinformatics", Master in Plant Protection and Biotechnology - Moulay Ismail University, Faculty of Science, Meknés, Morocco. Erasmus+ project 2018-1-IT02-KA107-047799 - Staff mobility for Teaching.
- **A.A. 2017/2018.** Docente del corso: "Microbial Genetics", Master in Plant Protection and Biotechnology - Moulay Ismail University, Faculty of Science, Meknés, Morocco.
- **A.A. 2017/2018.** Docente del corso: "Bioinformatics", Master in Plant Protection and Biotechnology - Moulay Ismail University, Faculty of Science, Meknés, Morocco.

ATTIVITÀ DIDATTICA FRONTALE (Corsi di Laurea - Università di Messina)

- **Dal 2021 ad oggi.** Titolare dei corsi di Genetica (Cattedre A-E ed O-Z); Corso di Laurea Triennale in Scienze Biologiche L-13 (Periodo: secondo semestre). Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali – Università di Messina.

- **Dal 2016 ad oggi.** Titolare del corso di Genetica; Corso di Laurea in Scienze dell’Ambiente e della Natura L-32 (oggi CdL Scienze Ambientali Marine e Terrestri) (Periodo: secondo semestre). Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali – Università di Messina.
- **A.A. 2020/2021; 2022/2023; 2023/2024.** Titolare del corso “Bioinformatics and molecular networks”; (course taught in english). Corso di Laurea Magistrale in Biotecnologie Mediche LM-9 (Periodo: secondo semestre). Dipartimento Scienze Biomediche, Odontoiatriche e delle Immagini Morfologiche e Funzionali, Università di Messina.
- **A.A. 2021/2022.** Titolare del corso di "Genomica Applicata e Bioinformatica"; Corso di Laurea Magistrale Biologia della Salute, delle Tecnologie Applicate e della Nutrizione (Periodo: secondo semestre). Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali – Università di Messina.
- **A.A. 2015/2016; 2018/2019; 2019/2020; 2020/2021.** Titolare del corso di Genetica (Cattedra AK); Corso di Laurea Triennale in Scienze Biologiche L-13 (Periodo: secondo semestre). Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali – Università di Messina.
- **A.A. 2014/2015; 2015/2016; 2016/2017; 2017/2018; 2018/2019.** Titolare del corso di Bioinformatica per l'analisi genetica; Corso di Laurea Magistrale in Biologia LM-6 (Periodo: secondo semestre). Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali – Università di Messina.
- **A.A. 2012/2013; 2013/2014.** Titolare del corso di Genetica; Corso di Laurea Triennale Interfacoltà in Biotecnologie - Dipartimento di Scienze Biomediche e delle Immagini Morfologiche e Funzionali – Università di Messina.

ALTRE ATTIVITÀ DIDATTICHE (Corsi di Specializzazione, Dottorato, Master e Didattica integrativa - Università di Messina)

- **A.A. 2020/2021 ad oggi.** Titolare del corso di Genetica (SSD: BIO/18; CFU: 1). Scuola di Specializzazione in Genetica Medica; Dipartimento Scienze Biomediche, Odontoiatriche e delle Immagini Morfologiche e Funzionali, Università di Messina.
- **A.A. 2019/2020 ad oggi.** Titolare del corso di Genetica (SSD: BIO/18; CFU: 1). Scuola di Specializzazione in Microbiologia e Virologia; Dipartimento di Patologia Umana dell’Adulto e dell’Età Evolutiva “Gaetano Barresi”, Università di Messina.
- **A.A. 2018/2019 ad oggi.** Titolare del corso di Bioinformatica (SSD: BIO/18; CFU: 2). Scuola di Specializzazione in Genetica Medica; Dipartimento Scienze Biomediche, Odontoiatriche e delle Immagini Morfologiche e Funzionali, Università di Messina.
- **A.A. 2020/2021 ad oggi.** Attività didattica in Genetica e Genomica (6 ore) per il Corso di Dottorato in “Biologia Applicata e Medicina Sperimentale” - Università di Messina.
- **A.A. 2018/2019.** Insegnamento modulo di: “Ruolo emergente della bioinformatica negli studi informatici di epigenetica e implicazioni per le patologie” (4 ore). Master di I livello in “Occupational and Environmental Risk Management”. Università di Messina (4 Ottobre 2019).
- **A.A. 2017/2018.** Corso di “Bioinformatica e strumenti informatici” (12 ore). Master di I livello in “Occupational and Environmental Risk Management”. Università di Messina (14, 21-22 Settembre 2018).
- **A.A. 2010/2011.** Professore a contratto di Genetica; Corso di Laurea in Scienze Biologiche L-13. Facoltà di Scienze Matematiche, Fisiche e Naturali – Università di Messina.
- **A.A. 2010/2011.** Professore a contratto di Genetica; Corso di Laurea Magistrale Interclasse LM51/55 (Scienze cognitive e psicologia). Facoltà di Scienze della Formazione – Università di Messina.
- **Dal 2013 ad oggi:** Attività didattica integrativa e di servizio agli studenti. Il Prof. Orazio Romeo è stato relatore di oltre 50 tesi di Laurea di studenti iscritti a diversi corsi di studi di I e II livello dell’Università di Messina tra cui: CdS Magistrale in Biologia (LM-6), CdS Biotecnologie Mediche (LM-9), CdS in Biotecnologie (L-2), CdS Triennale in Scienze Biologiche (L-13) e CdS Triennale in Scienze dell’Ambiente e della Natura (L-32).

ATTIVITÀ DI TUTORATO/SUPERVISIONE STUDENTI E DOTTORANDI

- **A.A. 2022/2023.** Supervisor (da gennaio 2023 ad oggi) della Dr.ssa Hajar Loukili, dottoranda della "Moulay Ismail University, Faculty of Science, Meknés, Marocco".
- **Dal 28/06/2019 al 01/10/2019.** Tutor del Dr. Damiano Spagnuolo e Assistente Responsabile Esterno delle Operazioni (AREO) sul sistema Sicilia FSE1420, nell’ambito del PO FSE 2014-2020, avviso 20/2018 per il finanziamento di tirocini obbligatori e non obbligatori delle professioni ordinistiche (Progetto formativo: Etichettatura molecolare di organismi eucariotici e studio della biodiversità mediante analisi genetiche).

- **A.A. 2015/2016.** Supervisor (12 mesi) della Dr.ssa Lamy El aamri, dottoranda della "Moulay Ismail University, Faculty of Science, Meknés, Marocco"; Mobilità Erasmus+ progetto KA107(2015-1-IT02-KA107-014704).
- **A.A. 2015/2016.** Supervisor (5 mesi) di Hanen Farjaoui studentessa (Master Science) dell' "University of Sfax, Tunisia"; Programma "ERASMUS+ KA107-2016".
- **A.A. 2014/2015** Supervisor (10 mesi) della Dr.ssa Sanae Rharmitt, dottoranda della "Moulay Ismail University, Faculty of Science, Meknés, Marocco"; Programma "EU Mare Nostrum (EUMN-III Call - F.S.1.04.11.01 UORI)" finanziato dall' Unione Europea (grant n° 2011-4050/001-EMA2).

PROGETTI DI RICERCA FINANZIATI E ATTIVITÀ DI CONSULENZA E DI SPERIMENTAZIONE COMMISSIONATE DA TERZI.

- **Da Maggio 2024 ad Agosto 2025.** Responsabile Scientifico dell'Unità di Ricerca presso l'Università di Messina del progetto: "Innovative Bioinformatics for Enhanced Agricultural Resilience and Diversity (IBERAD)" finanziato nell'ambito del Programma di Ricerca e Innovazione "AGRITECH – RISORSE GENETICHE VEGETALI, ANIMALI E MICROBICHE E ADATTAMENTO AI CAMBIAMENTI CLIMATICI", sovvenzionato dall'Unione Europea – NextGenerationEU" CN00000022, SPOKE 1, CUP B83C22002840001 ((Finanziamento UNIME: €90.456,00).
- **Dal 01/02/2023 al 31/01/2027.** Partecipazione al progetto Pharma-HUB – Hub per il riposizionamento di farmace nelle malattie rare del sistema nervoso in età pediatrica. Piano di Sviluppo e Coesione del Ministero della Salute 2014-2020. Piano operativo salute – Traiettorie 4 "Biotecnologia, bioinformatica e sviluppo farmaceutico". CUP J43C22000500006.
- **Dal 01/06/2023 al 30/11/2026.** Partecipazione al progetto ANTHEM: AdvaNced Technologies for Human-centrEd Medicine. CUP B53C22006690001.
- **Gennaio 2023.** Componente dell'Unità di Ricerca italiana nell'ambito del programma PRIMA (Partnership for Research and Innovation in the Mediterranean Area), Call PRIMA Section 2, 2022 - Multi-Topic. Titolo del progetto di ricerca finanziato: "Transition to Healthy Mediterranean Functional Food via Integrating Mushroom Beta-glucans and Proteins: Promoting Body Homeostasis After Stress-Related Health Problems (Mush-Med). Ente coordinatore: City of Scientific Research and Technological Applications (SRTA-City), Egitto (<http://srtacity.sci.eg>). Composizione del consorzio: Egitto (SRTA-City); Italia (Università di Messina); Portogallo (European Bioproducts Research Institute - EBRI); Turchia (Bursa Technical University).
- **Febbraio 2021.** Responsabile scientifico del progetto FFABR (Fondo di Finanziamento per le Attività Base di Ricerca) di Ateneo (Università di Messina), anno 2021 (Decreto Prot. n. 0153724 del 7/12/2021).
- **2021-2023.** Responsabile Scientifico di attività conto terzi per il monitoraggio microbiologico degli ambienti ospedalieri e la prevenzione della diffusione di cloni patogeni resistenti agli antimicrobici. Convenzione tra Grande Ospedale Metropolitano "Bianchi, Melacrino, Morelli" di Reggio Calabria e Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali – Università di Messina (Contratto n. 0026501 del 25/02/2021; €240.000).
- **2018-2020.** Responsabile Scientifico di attività conto terzi per il monitoraggio microbiologico degli ambienti ospedalieri e la prevenzione della diffusione di cloni patogeni resistenti agli antimicrobici. Convenzione tra Grande Ospedale Metropolitano "Bianchi, Melacrino, Morelli" di Reggio Calabria e Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali – Università di Messina (Contratto n. 36036 del 14/05/2018; €220.000).
- **Luglio 2020.** Responsabile Scientifico di prestazioni di servizi bioinformatici per la società Prodotti Gianni S.r.l. Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali – Università di Messina (Contratto n. 72909 del 06/08/2020; €5.000).
- **Dal 05/11/2014 al 04/11/2018.** Vincitore del progetto "Giovani ricercatori 2011-2012" finanziato dal Ministero della Salute. Codice Progetto GR-2011-02347606; IRCCS Centro Neurolesi "Bonino Pulejo" Messina (Finanziamento: €285.000).
- **Giugno 2011.** Progetto assistenziale "Indagine sulla trasmissione nosocomiale di ceppi di *Candida parapsilosis* responsabili di candidemie in reparti di terapia intensiva" (Delfino D, Cascio A, Romeo O, Criseo G) finanziato dal Policlinico Universitario "G. Martino", Messina.

PRINCIPALI COLLABORAZIONI SCIENTIFICHE INTERNAZIONALI

- Prof. **Sybre de Hoog**, CBS-KNAW Fungal Biodiversity Centre, Utrecht, The Netherlands.
- Prof. **Gholamreza Shokoohi**, Jahrom University of Medical Sciences, Iran.
- Prof. **Christophe d'Enfert**, Department of Mycology - Institut Pasteur, Paris, France.

- Prof. **Anuradha Chowdhary**, Vallabhbhai Patel Chest "Institute," University of Delhi, India.
- Prof. **Huang Huaqiu**, Department of Dermatology, Third Hospital, Sun Yat-Sen University, Guangzhou, China.
- Prof. **Héctor M. Mora Montes**, Universidad de Guanajuato, Guanajuato, Mexico.
- Dr. **Riccardo Aiese Cigliano**, Sequentia Biotech, Barcelona, Spain
- Prof. **Clarissa Nobile**, and Prof. **Aaron Hernday** School of Natural Sciences, University of California, Merced CA, USA.
- Prof. **Guillermo Quindós-Andrés**, "Universidad del "País" "Vasco/Euskal" Herriko "Unibertsitatea", Bilbao, Spain.
- Dr. **Mohammed El-Kholy**, College of Pharmacy, Arab Academy for Science, Technology and Maritime Transport (AASTMT), Alexandria - Egypt
- Dr. **Nnaemeka Emmanuel Nnadi**, Department of Microbiology, Plateau State University, Boko, Plateau State, Nigeria.
- Dr. **Manoel Marques Evangelista Oliveira**, Instituto Nacional de Infectologia Evandro Chagas, Fundação Oswaldo Cruz, Rio de Janeiro, RJ, Brazil.

ISCRIZIONE A SOCIETÀ SCIENTIFICHE

- **Da Novembre 2022 ad oggi**. Membro della "European Society of Clinical Microbiology and Infectious Diseases" (ESCMID).
- **Da Ottobre 2022 ad oggi**. Membro della "Federazione Italiana di Micopatologia Umana ed Animale" (FIMUA).
- **Da Gennaio 2017 ad oggi**. Membro della "International Society for Human & Animal Mycology" (ISHAM).
- **Da novembre 2017 ad oggi**. Membro dell'Associazione Genetica Italiana (AGI).

RELATORE A CONVEGNI/CONGRESSI NAZIONALI ED INTERNAZIONALI

- **30 Gennaio 2024**. Romeo O. L'importanza delle misure di sorveglianza e di controllo delle infezioni nel combattere la diffusione di microrganismi resistenti agli antimicrobici, Corso teorico pratico prelievi; Azienda Ospedaliera Papardo Messina (evento accreditato ECM n°: 2007-407385 - Id Provider: 2007).
- **1 Ottobre 2022**. Romeo O. "Whole genome sequencing" (WGS) e infezioni fungine: il caso *Candida*"; VII Sessione: "Meet the Expert": analisi di sequenze geniche fungine", XV Congresso Nazionale FIMUA, Roma (Relazione su invito).
- **1 Ottobre 2022**. Romeo O. "Recenti progressi nella genomica di *Sporothrix*: traguardi raggiunti e sfide future"; VII Sessione: "Meet the Expert": analisi di sequenze geniche fungine", XV Congresso Nazionale FIMUA, Roma (Relazione su invito).
- **13 Dicembre 2021**. Romeo O. Pandemie nascoste ai tempi del Coronavirus. Convention "Contrastiamo le pandemie Il nuovo scenario Sistemi di prevenzione e contrasto", Complesso Monumentale dello Steri, Palermo (Relazione su invito).
- **23 Novembre 2019**. Invited speaker; lecture: Recent advances in *Sporothrix* genomics: promise and challenges, 7th Asia Pacific Society for Medical Mycology (APSM) Congress, 22-24 Novembre, Guangzhou, China.
- **3 Luglio 2018**. Invited Speaker; lecture: RNA-seq and transcriptome-wide analysis of *Sporothrix schenckii* yeast and mycelial forms. 20th Congress of the International Society for Human and Animal Mycology (ISHAM), Amsterdam, The Netherlands.
- **24-27 Maggio 2018**. Invited Speaker; lecture: Scientists and Social Networks; 10th Anniversary of ResearchGate (www.researchgate.net), Berlin, Germany.
- **27-30 Settembre 2017**. Romeo O. Massive parallel sequencing and bioinformatics analysis of fungal genomes of pathogenic *Sporothrix* species. 45^o Congresso della Società Italiana di Microbiologia, Genova (Relazione su invito).
- **6 Ottobre 2017**. Romeo O. Epidemiologia molecolare. Convegno CoRe FOCuS – alla radice del problema delle IFI. Palazzo Steri, Palermo (Relazione su invito).
- **26-27 Gennaio 2017**. Romeo O. Whole RNA-sequencing, transcriptome assembly and gene expression profiling of fungal pathogens. SMART SCIENCE 2017, Catania (Relazione su invito).
- **27-28 Maggio 2016**. Romeo O. "De Novo" Fungal Genome Assembly Using Short-read Sequences. Corso ECM Next Generation Sequencing and Bioinformatics: Methods, Tools and Applications in Basic. IRCCS Centro Neurolesi, Messina.

- **26 Febbraio 2016.** Romeo O. Draft genome sequence of *Sporothrix pallida*, a non-pathogenic member of the genus *Sporothrix*. SMART SCIENCE 2016, Catania (Relazione su invito).
- **29 Maggio 2015.** Bioinformatica per l'analisi di dati NGS: approcci sperimentali. Corso di Genomica, Proteomica e Bioinformatica per lo Studio e l'Identificazione dei Microrganismi. Aula Magna "V. Ricevuto" Università di Messina.
- **08 Maggio 2015.** Infezioni micotiche opportunistiche in ambito oncologico. II Conferenza Nazionale "Nuove Frontiere nella Diagnostica di Laboratorio". Istituto Zooprofilattico Sperimentale della Sicilia "A. Mirri", Palermo (Relazione su invito).
- **22 Febbraio 2014.** Candidosi genitale: una malattia a trasmissione sessuale o soltanto una comune infezione micotica? I Conferenza Nazionale "Patologie Infettive a Trasmissione Sessuale e Neurologiche: Il Punto. Casa Internazionale delle Donne, Roma (Relazione su invito).
- **29 Novembre 2008.** *Candida africana*: Caratteristiche fenotipiche e relazioni filogenetiche con *Candida albicans*. 9° Congresso nazionale FIMUA, Catania

ORGANIZZAZIONE E PARTECIPAZIONE A COMITATI SCIENTIFICI DI CONVEGNI E CORSI DI ALTA FORMAZIONE

- **07 Marzo 2024.** Membro della "International Advisory committee" del "22nd Congress of the International Society of Human and Animal Mycology (ISHAM), Iguazu Falls, Brazil, 20-24 May 2025 (www.isham2025.org/committees).
- **14 Giugno 2019.** Responsabile Scientifico del Corso: BIOINFORMATICA, Nuova Generazione di Biologi: Biologi in-silico. Dipartimento di Ingegneria, Università di Messina. Corso ECM organizzato in collaborazione con ENPAB.
- **27-28 Maggio 2016.** Responsabile Scientifico del Corso ECM: Next Generation Sequencing and Bioinformatics: Methods, Tools and Applications in Basic Research, Clinical Diagnostics and much more. IRCCS Centro Neurolesi Bonino-Pulejo, Messina.
- **23 Settembre 2015.** Responsabile Scientifico Workshop: Nuove piattaforme genetiche nella ricerca e nella diagnostica. Aula Magna "V. Ricevuto" Università di Messina.
- **29 Maggio 2015.** Responsabile Scientifico del Corso di aggiornamento in Genomica, Proteomica e Bioinformatica per lo Studio e l'Identificazione dei Microrganismi. Aula Magna "V. Ricevuto" Università di Messina; Corso ECM, Ordine Nazionale dei Biologi.
- **13 Novembre 2014.** Convegno: Il Biologo: figura dinamica nel mondo del lavoro. Aula Magna "V. Ricevuto", Ex Facoltà di Scienze MM. FF. NN. Università di Messina, Messina; Corso ECM, Ordine Nazionale dei Biologi.
- **20 Giugno 2014.** Convegno: La Biologia forense nel processo civile e penale. Palazzo Campanella, Consiglio Regionale della Calabria, Reggio Calabria; Corso ECM, Ordine Nazionale dei Biologi.

ATTIVITÀ EDITORIALI E DI REVISORE (RIVISTE INTERNAZIONALI)

- **Novembre 2016-Settembre 2020.** "Associate Editor", Journal: "Frontiers in Microbiology", section "Funghi and Their Interactions" Publisher: Frontiers, ISSN: 1664-302X.
- **Febbraio 2022-ad oggi.** "Associate Editor" Journal: "Frontiers in Microbiology", section "Infectious Agents and Disease" Publisher: Frontiers, ISSN: 1664-302X.

REVIEWER (Publons profile: publons.com/a/1206146):

- | | |
|---|---|
| ▪ The Lancet Infectious Disease (Elsevier) | ▪ Mycopathologia (Springer) |
| ▪ Infection, Genetics and Evolution (Elsevier) | ▪ Virulence (Landes Biosciences) |
| ▪ PLOS Neglected Tropical Diseases (PLOS) | ▪ Frontiers in Microbiology (Frontiers) |
| ▪ Emerging Microbes and Infections (Nature) | ▪ PLoS One (PLOS) |
| ▪ BMC Microbiology (BioMed Central Ltd) | ▪ Clinical Microbiology and Infection (Wiley) |
| ▪ Medical Mycology (Informa Healthcare) | ▪ Journal of Medical Microbiology (SGM) |
| ▪ Saudi Journal of Biological Sciences (Elsevier) | ▪ Memórias do Instituto Oswaldo Cruz |
| ▪ Mycoses (Wiley-Blackwell) | ▪ Biomed Research International (Hindawi) |

VALUTATORE DI PROGETTI DI RICERCA PER ISTITUZIONI INTERNAZIONALI

- **Marzo 2020.** Valutatore di proposte progettuali interdisciplinari nell'ambito del bando "Ciencia de Frontera 2019" - National Council for Science and Technology (CONACYT), Messico.
- **Aprile 2020.** "Nominated Referee" FLAIR Fellowships 2021. The Royal Society, London, UK.

PUBBLICAZIONI SU INVITO DELL'EDITOR

1. Romeo O, Criseo G. What lies beyond genetic diversity in *Sporothrix schenckii* species complex? New insights into virulence profiles, immunogenicity, and protein secretion in *S. schenckii* sensu stricto isolates. *Virulence*. 2013; 4:203-6.
2. Romeo O, Tietz HJ, Criseo G. *Candida africana*: is it a fungal pathogen? *Curr. Fungal Infect. Rep.* 2013; 7:192-7.

PUBBLICAZIONI SU RIVISTE INTERNAZIONALI

1. Cafarchia C, Mendoza-Roldan JA, Rhimi W, PhD, Ugochukwu ICI, Miglianti M, Beugnet F, Giuffrè L, Romeo O, Otranto O. 'Candida auris from the Egyptian cobra: role of snakes as potential reservoirs. *Med. Mycol.* 2024; In press.
2. Mahdizade AH, Hoseinnejad A, Ghazanfari M, Boozhmehrani MJ, Bahreiny SS, Abastabar M, Galbo R, Giuffrè L, Haghani I, Romeo O. The *TAC1* Gene in *Candida albicans*: Structure, Function, and Role in Azole Resistance: A Mini-Review. *Microb Drug Resist.* 2024. In press.
3. Rashidi M, Bazi A, Ahmadzadeh A, Romeo O, Rezaei-Matehkolaei A, Abastabar M, Haghani I, Mirzaei S. The growth inhibitory and apoptotic effects of umbelliprenin in a mouse model of systemic candidiasis. *J Appl Microbiol.* 2023; 134(9):lxad201.
4. Mandalari G, Minuti A, La Camera E, Barreca D, Romeo O, Nostro A. Antimicrobial susceptibility of *Staphylococcus aureus* strains and effect of phloretin on biofilm formation. *Current Microbiology. Curr Microbiol.* 2023;80(9):303.
5. Giosa D, Lombardo D, Musolino C, Chines V, Raffa G, Casuscelli di Tocco F, D'Aliberti D, Caminiti G, Saitta C, Alibrandi A, Aiese Cigliano R, Romeo O, Navarra G, Raimondo G, Pollicino T. Mitochondrial DNA is a target of HBV integration. *Commun Biol.* 2023;6(1):684.
6. Floridia V, Giuffrè L, Giosa D, Arfuso F, Aragona F, Fazio F, Chen C, Song C, Romeo O, D'Alessandro E. Comparison of the Faecal Microbiota Composition Following a Dairy By-Product Supplemented Diet in Nero Siciliano and Large White × Landrace Pig Breeds. *Animals.* 2023;13(14):2323.
7. Grassi A, Gambini M, Pantoli M, Toscano S, Albertetti A, Del Frassinò DM, Ugochukwu ICI, Romeo O, Otranto D, Cafarchia C. A Lethal Case of Disseminated *Cladosporium allicinum* Infection in a Captive African Bullfrog. *Journal of Fungi.* 2023;9(2):191.
8. Tardiolo G, Romeo O, Zumbo A, Di Marsico M, Sutera AM, Cigliano RA, Paytuví A, D'Alessandro E. Characterization of the Nero Siciliano Pig Fecal Microbiota after a Liquid Whey-Supplemented Diet. *Animals.* 2023;13(4):642.
9. Du W, Giosa D, Wei J, Giuffrè L, Shi G, El Haamri L, D'Alessandro E, Hafidi M, de Hoog S, Romeo O, Huang H. Long-read PacBio genome sequencing of four environmental saprophytic *Sporothrix* species spanning the pathogenic clade. *BMC Genomics.* 2022;23(1):506.
10. Quindós G, et al. *In Vitro* Antifungal Activity of Ibrexafungerp (SCY-078) Against Contemporary Blood Isolates From Medically Relevant Species of *Candida*: A European Study. *Front Cell Infect Microbiol.* 2022;12:906563.
11. Dougue AN, El-Kholy MA, Giuffrè L, Galeano G, D'Aleo F, Kountchou CL, Nangwat C, Dzoyem JP, Giosa D, Pernice I, Shawky SM, Ngouana TK, Boyom FF, Romeo O. Multilocus sequence typing (MLST) analysis reveals many novel genotypes and a high level of genetic diversity in *Candida tropicalis* isolates from Italy and Africa. *Mycoses.* 2022; 65(11):989-1000.
12. Lui M, Giosa D, Romeo O, Bitto A. Computational Pathways Analysis and Personalized Medicine in HER2-Positive Breast Cancer. *Curr Pharmacogenomics Person Med.* 2022; 19(1):40-52.

13. Corrêa-Moreira D, Menezes RC, Romeo O, Borba CM, Oliveira MME. Clinical and Anatomopathological Evaluation of BALB/c Murine Models Infected with Isolates of Seven Pathogenic *Sporothrix* Species. *Pathogens*. 2021; 10(12):1647.
14. Barreca D, Trombetta D, Smeriglio A, Mandalari G, Romeo O, Felice MR, Gattuso G, Nabavi SM. Food flavonols: Nutraceuticals with complex health benefits and functionalities. *Trends Food Sci Tech*. 2021; 117:194-204.
15. Shokoohi G, Javidnia J, Mirhendi H, Jahromi AR, Rezaei-Matehkolaei A, Ansari S, Maryami F, Goodarzi S, Romeo O. Molecular identification and antifungal susceptibility profiles of *Candida dubliniensis* and *Candida africana* isolated from vulvovaginal candidiasis: A single-center experience in Iran. *Mycoses*. 2021;64(7):771-779.
16. Giosa D, Felice MR, Giuffrè L, Aiese Cigliano R, Paytuví-Gallart A, Lo Passo C, Barresi C, D'Alessandro E, Huang H, Criseo G, Mora-Montes HM, de Hoog S, Romeo O. Transcriptome-wide expression profiling of *Sporothrix schenckii* yeast and mycelial forms and the establishment of the *Sporothrix* Genome DataBase. *Microb Genom*. 2020;6(10):mgen000445.
17. Corrêa-Moreira D, De Luca PM, Romeo O, C Menezes R, Paes RA, Oliveira RZ, de Moraes AM, de L Neto RG, Moraes Borba C, E de Oliveira MM. Tregs in the immune response of BALB/c mice experimentally infected with species of the *Sporothrix* genus. *Future Microbiol*. 2020;15:1217-1225.
18. Romeo O, Marchetta A, Giosa D, Giuffrè L, Urzì C, De Leo F. Whole Genome Sequencing and Comparative Genome Analysis of the Halotolerant Deep Sea Black Yeast *Hortaea werneckii*. *Life (Basel)*. 2020;10(10):229.
19. Monno R, Brindicci G, Romeo O, De Carolis E, Criseo G, Sanguinetti M, Fumarola L, Ingravallo G, Mariani M, Monno L. Infection caused by *Sporothrix schenckii*: an autochthonous case in Bari, Southern Italy. *Eur J Clin Microbiol Infect Dis*. 2020;39(12):2457-2460.
20. Tamez-Castrellón AK, Romeo O, García-Carnero LC, Lozoya-Pérez NE, Mora-Montes HM. Virulence factors in *Sporothrix schenckii*, one of the causative agents of sporotrichosis. *Curr Protein Pept Sci*. 2020;21(3):295-312.
21. Nnadi NE, Giosa D, Ayanbimpe GM, D'Alessandro E, Aiese Cigliano R, Oheri UC, Aguiyi JC, Enweani IB, Romeo O. Whole-genome sequencing of an uncommon *Cryptococcus neoformans* MLST43 genotype isolated in Nigeria. *Mycopathologia*. 2019;184(5):555-557.
22. D'Alessandro E, Giosa D, Sapienza I, Giuffrè L, Cigliano RA, Romeo O, Zumbo A. Whole genome SNPs discovery in Nero Siciliano pig. *Genet Mol Biol*. 2019 ;42(3):594-602.
23. Scordino F, Giuffrè L, Felice MR, Orlando MG, Medici MA, Marino Merlo F, Romeo O. Genetic diversity of *Candida albicans* isolates recovered from hospital environments and patients with severe acquired brain injuries. *Infect Genet Evol*. 2019;76:104068.
24. Felice MR, Giuffrè L, El Aamri L, Hafidi M, Criseo G, Romeo O, Scordino F. Looking for new antifungal drugs from flavonoids: impact of the genetic diversity of *Candida albicans* on the in-vitro response. *Curr Med Chem*. 2019;26(27):5108-5123.
25. El Aamri L, Scordino F, Barresi C, Romeo O, Criseo G, Hafidi M. Esterase profiling and molecular identification of yeasts isolated from different environmental samples from Morocco. *Journal of Biological Research* 2019; 92(7935):56-60.
26. D'Arrigo M; Bisignano C; Irrera P; Smeriglio A; Zagami R; Trombetta D; Romeo O; Mandalari G. In vitro evaluation of the activity of an essential oil from Pistacia vera L. variety Bronte hull against *Candida* sp. *BMC Complementary and Alternative Medicine*. 2019; 19(1):6.
27. Ropars J, et al. Gene flow contributes to diversification of the major fungal pathogen of humans *Candida albicans*. *Nature Communications*. 2018; 9:2253.

28. Scordino F, Giuffrè L, Barberi G, Marino Merlo F, Orlando MG, Giosa D, Romeo O. Multilocus sequence typing reveals a new cluster of closely related *Candida tropicalis* genotypes in Italian patients with neurological disorders. *Front Microbiol.* 2018;9:679.
29. Giosa D, Felice MR, Lawrence TJ, Gulati M, Scordino F, Giuffrè L, Lo Passo C, D'Alessandro E, Criseo G, Ardell DH, Hernday AD, Nobile CJ, Romeo O. Whole RNA-Sequencing and Transcriptome Assembly of *Candida albicans* and *Candida africana* under Chlamydospore-Inducing Conditions. *Genome Biol Evol.* 2017;9:1971-1977.
30. Hagen F, et al. Importance of resolving fungal nomenclature: the case of multiple pathogenic species in the *Cryptococcus* genus. *mSphere.* 2017;2:e00238-17.
31. Chowdhary A, Hagen F, Sharma C, Al-Hatmi AM, Giuffrè L, Giosa D, Fan S, Badali H, Felice MA, de Hoog S, Meis JF, Romeo O. Whole genome-based amplified fragment length polymorphism (AFLP) analysis reveals genetic diversity in *Candida africana*. *Front. Microbiol.* 2017;8:556.
32. Huang L, Gao W, Giosa D, Criseo G, Zhang J, He T, Huang X, Sun J, Sun Y, Huang J, Zhang Y, Brankovics B, Scordino F, D'Alessandro E, van Diepeningen A, de Hoog S, Huang H, Romeo O. Whole-genome sequencing and in silico analysis of two strains of *Sporothrix globosa*. *Genome Biol Evol.* 2016; 8:3292-3296.
33. Nnadi NE, Enweani IB, Cogliati M, Ayanbimpe MG, Okolo OM, Kim E, Sabitu MZ, Criseo G, Romeo O, Scordino F. Molecular characterization of environmental *Cryptococcus neoformans* VNII isolates in Jos, Plateau State, Nigeria. *J Mycol Med.* 2016; 26:306-311.
34. Chillemi V, Lo Passo C, van Diepeningen A, Rharmitt S, Delfino D, Cascio A, Nnadi NE, Cilo BD, Sampaio P, Tietz HJ, Pemán J, Criseo G, Romeo O, Scordino F. Multilocus microsatellites analysis of European and African *Candida glabrata* isolates. *Eur J Clin Microbiol Infect Dis.* 2016; 35:885-892.
35. Cogliati M, et al. Environmental distribution of *Cryptococcus neoformans* and *Cryptococcus gattii* around the Mediterranean basin. *FEMS Yeast Res.* 2016; 16(4):fow045.
36. D'Alessandro E, Giosa D, Huang L, Zhang J, Gao W, Brankovics B, Oliveira MM, Scordino F, Lo Passo C, Criseo G, van Diepeningen AD, Huang H, de Hoog GS, Romeo O. Draft Genome Sequence of the Dimorphic Fungus *Sporothrix pallida*, a Non-pathogenic Species Belonging to *Sporothrix*, a Genus Containing Agents of Human and Feline Sporotrichosis. *Genome Announc.* 2016; 31:4(2).
37. Felice MR, Gulati M, Giuffrè L, Giosa D, Di Bella LM, Criseo G, Nobile CJ, Romeo O, Scordino F. Molecular characterization of the N-acetylglucosamine catabolic genes in *Candida africana*, a natural N-acetylglucosamine kinase (*HXK1*) mutant. *PLoS One.* 2016;11(1):e0147902.
38. Rharmitt S, Hafidi M, Hajjaj H, Scordino F, Giosa D, Giuffrè L, Barreca D, Criseo G, Romeo O. Molecular characterization of patulin producing and non-producing *Penicillium* species in apples from Morocco. *Int. J Food Microbiol.* 2016; 217:137-140.
39. Giannetto A, Maisano M, Cappello T, Oliva S, Parrino V, Natalotto A, De Marco G, Barberi C, Romeo O, Mauceri A, Fasulo S. Hypoxia-inducible factor α and Hif-prolyl hydroxylase characterization and gene expression in short-time air exposed *Mytilus galloprovincialis*. *Marine Biotechnology.* 2015;17(6):768-781.
40. Bonaccorsi P, Barattucci A, Papalia T, Criseo G, Faggio C, Romeo O. Pyrimidine derived disulfides as potential antimicrobial agents: synthesis and evaluation in vitro. *J Sulfur Chem.* 2015; 36:317-25.
41. Oliveira M, Franco-Duarte R, Romeo O, Pais C, Criseo G, Sampaio P, Zancoppe-Oliveira R. Evaluation of T3B fingerprinting for identification of clinical and environmental *Sporothrix* species. *FEMS Microbiol Lett.* 2015; 362(6):1-7.
42. Okolo OM, van Diepeningen AD, Toma B, Nnadi NE, Ayanbimpe MG, Onyedibe IK, Sabitu MZ, Banwat BE, Groenewald M, Scordino F, Egah ZD, Criseo G, Romeo O. First report of neonatal sepsis due to *Moesziomyces bullatus* in a preterm low birth weight infant. *J Med Microbiol Case Rep.* 2015; 2:1-4.

43. de Oliveira MM, Santos C, Sampaio P, Romeo O, Almeida-Paes R, Pais C, Lima N, Zancopé-Oliveira R. Development and optimization of a new MALDI-TOF protocol for the identification of *Sporothrix* species complex. *Res Microbiol.* 2014; 166:102-10.
44. Criseo G, Scordino F, Romeo O. Current methods for identifying clinically important cryptic *Candida* species. *J Microbiol Met.* 2015; 111;50-56.
45. Delfino D, Scordino F, Pernice I, Lo Passo C, Galbo R, David A, Barberi I, Criseo G, Cascio A, Romeo O. Potential association of specific *Candida parapsilosis* genotypes, bloodstream infections and colonization of health workers' hands. *Clin Microbiol Infect.* 2014; 20:946-51.
46. Cascio A, Pantaleo D, Corona G, Barberi G, Delfino D, Romeo O, Iaria C, Barberi I. Neonatal liver abscesses associated with candidemia: Three cases and review of literature. *J Mat. Fet. Neonatal Med.* 2014; 27:743-9.
47. Nnadi NE, Ojogba OM, Romeo O, Mebi AG, Scordino F, Bessie EI, Criseo G. Lack of *Candida bracariensis* and *Candida nivariensis* in vaginal *Candida glabrata* isolates in Jos, Plateau State. *Afri J Microbiol Res.* 2013; 7:4480-2
48. Genovese G, Romeo O, Morabito M, Alessi D, Criseo G, Faggio C. Activity of ethanolic extracts of *Asparagopsis taxiformis* against the major molecular types of *Cryptococcus neoformans/C. gattii* complex. *Afr J Microbiol Res.* 2013; 7:2662-7.
49. Esposto MC, Prigitano A, Romeo O, Criseo G, Trovato L, Tullio V, Fadda ME, Tortorano AM and FIMUA working group. Looking for *Candida nivariensis* and *C. bracariensis* among a large Italian collection of *C. glabrata* isolates: results of the FIMUA working group. *Mycoses.* 2013; 56:394-6.
50. Romeo O, Delfino D, Cascio A, Lo Passo C, Amorini M, Romeo D, Pernice I. Microsatellite-based genotyping of *Candida parapsilosis* sensu stricto isolates reveals dominance and persistence of a particular epidemiological clone among neonatal intensive care unit patients. *Inf Gen Evol.* 2013; 13:105-8.
51. Biondo C, Mancuso G, Beninati C, Iaria C, Romeo O, Cascio A, Teti G. The role of endosomal toll-like receptors in bacterial recognition. *Eur. Rev. Med. Pharmacol. Sci.* 2012; 16: 1506-12.
52. Nnadi NE, Ayanbimpe GM, Scordino F, Okolo MJ, Enweani IB, Criseo G, Romeo O. Isolation and molecular characterization of *Candida africana* from Jos, Nigeria. *Med. Mycol.* 2012; 50:765-7.
53. Romeo O, Scordino F, Chillemi V, Criseo G. *Cryptococcus neoformans/Cryptococcus gattii* Species Complex in Southern Italy: An Overview on the Environmental Diffusion of Serotypes, Genotypes and Mating-Types. *Mycopathologia.* 2012; 174:283-91
54. Romeo O, Delfino D, Costanzo B, Cascio A, Criseo G. Molecular characterization of Italian *Candida parapsilosis* isolates reveals the cryptic presence of the newly described species *Candida orthopsilosis* in blood cultures from newborns. *Diagn. Microbiol. Infect. Dis.* 2012; 72:234-8.
55. Nnadi NE, Romeo O, Ayanbimpe GM, Okolo MO, Scordino F, Enweani IB, Criseo G. Genotyping and fluconazole susceptibility of *Candida albicans* strains from patients with vulvovaginal candidiasis in Jos, Nigeria. *Asian Pac. J Trop. Dis.* 2012; 2:48-50.
56. Romeo O, Scordino F, Criseo G. New insight into molecular phylogeny and epidemiology of *Sporothrix schenckii* species complex based on calmodulin-encoding gene analysis of Italian isolates. *Mycopathologia.* 2011; 172:179-86.
57. Romeo O, Criseo G. *Candida africana* and its closest relatives. *Mycoses.* 2011; 54:475-86.
58. Cascio A, Mandraffino G, Cinquegrani M, Delfino D, Mandraffino R, Romeo O, Criseo G, Saitta A. *Actinoadura pelletieri* mycetoma - an atypical case with spine and abdominal wall involvement. *J. Med. Microbiol.* 2011; 60:673-6.

59. Romeo O, Scordino F, Criseo G. Environmental isolation of *Cryptococcus gattii* serotype B, VGI/MATa strains in Southern Italy. *Mycopathologia*. 2011; 171:423–30.
60. Romeo O, De Leo F, Criseo G. Adherence ability of *Candida africana*: A comparative study with *Candida albicans* and *Candida dubliniensis*. *Mycoses*. 2011; 54:57-61.
61. Criseo G, Romeo O. Ribosomal DNA sequencing and phylogenetic analysis of environmental *Sporothrix schenckii* strains: comparison with clinical isolates. *Mycopathologia* 2010; 169:351-8.
62. Romeo O, Scordino F, Pernice I, Lo Passo C, Criseo G. A multiplex PCR protocol for rapid identification of *Candida glabrata* and its phylogenetically related species *Candida nivariensis* and *Candida bracarensis*. *J. Microbiol Methods*. 2009; 79:117-20.
63. Romeo O, Criseo G. Morphological, biochemical and molecular characterisation of the first Italian *Candida africana* isolate. *Mycoses*. 2009; 52:454-7
64. Romeo O, Criseo G. Molecular epidemiology of *Candida albicans* and its closely related yeasts *Candida dubliniensis* and *Candida africana*. *J. Clin. Microbiol*. 2009; 47:212-4.
65. Criseo G, Zungri D, Romeo O. A stable yeast-like form of *Sporothrix schenckii*: lack of the dimorphic stage. *J. Clin. Microbiol*. 2008; 46:3870-1.
66. Romeo O, Criseo G. First molecular method for discriminating between *Candida africana*, *Candida albicans* and *Candida dubliniensis* by using the hwp1 gene. *Diagn. Microbiol. Infect. Dis*. 2008; 62:230-3.
67. Criseo G, Racco C, Romeo O. High genetic variability in non-aflatoxigenic *A. flavus* strains by using Quadruplex PCR-based assay. *Int. J. Food Microbiol*. 2008; 125:341-3.
68. Criseo G, Malara G, Romeo O, Puglisi Guerra A. Lymphocutaneous sporotrichosis in an immunocompetent patient: a case report from extreme southern Italy. *Mycopathologia*. 2008; 166:159-62.
69. Romeo O, Racco C, Criseo G. Amplification of the Hyphal Wall Protein 1 Gene to distinguish *Candida albicans* from *Candida dubliniensis*. *J. Clin. Microbiol*. 2006; 44:25.

PROCEEDINGS (ATTI DEI CONGRESSI)

1. Romeo O, Martinelli F, Galbo R, Giuffrè L, Felice MR, Giosa D. Investigating the Impact of Micro-Nanoplastic Exposure on *Arabidopsis thaliana*: Unraveling Novel Long Non-Coding RNAs and Differential Expression Profiles. 4rd EPI-CATCH Annual Conference on epigenetic mechanisms of crop adaptation to climate change. 4-6 June 2024, Novi Sad, Serbia.
2. Giosa D, Giuffrè L, Felice MR, Rigano G, Lui M, Aiese Cigliano R, Lopes Bezerra LM, Romeo O. Whole-transcriptome analysis of *Sporothrix brasiliensis* grown in mold- and yeast-inducing conditions. 21st ISHAM Congress, 20-24 September 2022, New Delhi, India. Medical Mycology. myac072P421. Doi: 10.1093/mmy/myac072.P421.
3. Tricomi G, Giosa D, Merlino G, Romeo O, Longo F. Toward a Function-as-a-Service Framework for Genomic Analysis. 2020 IEEE International Conference on Smart Computing (SMARTCOMP), Bologna, Italy, 2020, pp. 314-319, doi: 10.1109/SMARTCOMP50058.2020.00070.
4. Scordino F, Galeano G, Orlando MG, Barberi G, Giosa D, Giuffrè L, Marino Merlo F, Criseo G, Romeo O. Molecular surveillance of healthcare-associated *Candida* infections in a rehabilitation centre for patients with severe acquired brain injuries. 20th Congress of the International Society for Human and Animal Mycology (ISHAM), 30 June - 4 July 2018, Amsterdam, The Netherlands.
5. Barresi C, Moreno LF, Orlando MG, Felice MR, Barreca D, Giosa D, Criseo G, Gerrits van den Ende AHG, van Diepeningen A, de Hoog GS, Romeo O. Susceptibility to hydrogen peroxide and molecular characterization of catalase-encoding genes in different *Sporothrix* species. 20th Congress of the International Society for Human and Animal Mycology (ISHAM), 30 June - 4 July 2018, Amsterdam, The Netherlands.

6. Giuffrè L, Sapienza I, Criseo G, Romeo O, D'Alessandro E. The intestinal mycobiota of Nero Siciliano pig. 20th Congress of the International Society for Human and Animal Mycology (ISHAM), 30 June - 4 July 2018, Amsterdam, The Netherlands.
7. Bisignano C, Scordino F, Barberi G, Orlando MG, Criseo G, Romeo O. Microsatellites-based genotyping of *Candida parapsilosis* isolates recovered from clinical samples and hospital environments. 45° Congresso della Società Italiana di Microbiologia, 27-30 Settembre 2017, Genova.
8. Nnadi NE, Scordino F, Giosa D, Aiese Cigliano R, Bisignano C, Bessy Enweani I, Mebi Ayanbimpe G, Criseo G, Andrew Passer A, Sun S, Heitman J, Romeo O. Draft genome sequence of a Nigerian *Cryptococcus neoformans* strain belonging to an uncommon multilocus sequence type (MLST-ST43). 45° Congresso della Società Italiana di Microbiologia, 27-30 Settembre 2017, Genova.
9. Scordino F, Giosa D, Barberi G, Romeo O. Molecular epidemiology of pathogenic *Candida* species in hospital environments. *Journal of Biological Research* 2016; 89:(s1)15.
10. Giosa D, Felice MR, Giuffrè L, Scordino F, Lo Passo C, Criseo G, D'Alessandro E, Romeo O. Whole mRNA sequencing and transcriptome assembly of *Candida albicans* and *Candida africana* under chlamydospore-inducing conditions. *Journal of Biological Research* 2016; 89:5.
11. Barresi C, Orlando MG, Felice MR, Barreca D, Criseo G, Gerrits van den Ende AHG, van Diepeningen A, de Hoog GS, Romeo O. Oxidative stress response in environmental and pathogenic *Sporothrix* species. *Journal of Biological Research* 2016; 89:9.
12. El Aamri L, Hafidi M, Scordino F, Ghalfi H, Orlando MG, Lebrihi A, Criseo G, Romeo O. Detection of lipolytic activity by plate assay of environmental yeasts isolated in Morocco. *Journal of Biological Research* 2016; 89:10.
13. El Aamri L, Hafidi M, Criseo G, Giuffrè L, Ghalfi H, Barresi C, Orlando MG, Lebrihi A, Giosa D, Romeo O. Molecular identification of lipase producing yeasts isolated from Moroccan strawberry and olive pomace. *Journal of Biological Research* 2016; 89:11.
14. Giosa D, Sapienza I, Giuffrè L, Romeo O, D'Alessandro E. Towards Kit and Rxfp2 genes SNPs discovery in goat (*Capra Hircus*) using NGS technology approach. *Journal of Biological Research* 2016; 89:12.
15. Rharmitt S, Hafidi M, Hajjaj H, Giosa D, Giuffrè L, Barreca D, Criseo G, Scordino F, Romeo O. Molecular and biochemical characterization of patulin producing and non-producing *Penicillium* species in apple fruits from Morocco. 37th Mycotoxin workshop, 1-3 June 2015, Bratislava, Slovakia.
16. Nnadi NE, Ayanbimpe GM, Romeo O, Scordino F, Criseo G, Enweani IB. Fluconazole susceptibility and molecular characterization of African vaginal *Candida albicans* isolates based on sequence analysis of lanosterol 14-alpha demethylase (ERG11) gene. Abstract n°77. 19th ISHAM Congress, 4-8 May 2015, Melbourne, Australia.
17. Nnadi NE, Enweani IB, Ayanbimpe GM, Scordino F, Criseo G, Romeo O. Molecular characterization of environmental *Cryptococcus neoformans* isolates in Jos, Plateau State, Nigeria. Abstract n°448. 19th ISHAM Congress, 4-8 May 2015, Melbourne, Australia.
18. Enweani IB, Nnadi NE, Ayanbimpe GM, Romeo O, Criseo G. Molecular characterization of environmental *Cryptococcus neoformans* isolated from Jos, Nigeria. Abstract n°468. 19th ISHAM Congress, 4-8 May 2015, Melbourne, Australia.
19. Giosa D, D'Alessandro E, Scordino F, Bertolini F, Brosio S, Oliveira MME, Brankovics B, Criseo G, Lo Passo C, van Diepeningen AD, de Hoog S, Romeo O. Draft genome sequence of *Sporothrix pallida*, a non-pathogenic member of the genus *Sporothrix*. CBS Workshop - Genomics of Neglected Pathogens. CBS-KNAW Fungal Biodiversity Centre, Utrecht, The Netherlands, 20-21 April 2015 (Oral communication).

20. Cascio A, Scordino F, Delfino D, van Diepeningenc AD., Giuffrè L, Lo Passo C, Cascio A, Criseo G, Romeo O. Microsatellite-based genotyping of *Candida glabrata* isolates reveals close genetic relatedness among African and Italian genotypes. 25th ECCMID; 25-28 April 2015 Copenhagen, Denmark.
21. Scordino F, Pernice I, Lo Passo C, Galbo R, Medici MA, Criseo G, Romeo O. Antifungal susceptibilities of species of the *Sporothrix schenckii* complex isolated in Italy. Journal of Biological Research 2015; 88(5161):139-40 (Abstract 86° Congresso SIBS, 24-25 Ottobre 2013 Palermo).
22. Castello A, Costa I, Pernice I, Galbo R, Romeo O, Granoff D, Lo Passo C. Epitope mapping of a cross-reactive monoclonal antibody against the factor H-binding protein of *Neisseria meningitidis*. Journal of Biological Research 2015; 88(5161):43-4 (Abstract 86° Congresso SIBS, 24-25 Ottobre 2013 Palermo).
23. Romeo O, Delfino D, Scordino F, Medici MA, Criseo G, Cascio A. Eco-epidemiologia molecolare di funghi patogeni associati con le mani del personale ospedaliero: emergenza di *Candida parapsilosis*. XII Congresso nazionale SIMIT. Milano 27-30 ottobre 2013.
24. Strangio S, Romeo O, Nania C, Busà M, Briguglio MG, Costa A, Giunta E, Di Giovanni S, Staiti RM, Barbera A, Criseo G, Falliti G. Pathogenic *Candida* species isolated from patients in two Sicilian hospitals: the role of *C. parapsilosis* and *C. krusei*. 7° Congresso Nazionale DiTMO; Genova 20-21 Giugno 2013.
25. Nnadi NE, Ayanbimpe GM, Scordino F, Okolo MO, Enweani IB, Criseo G, Romeo O. Isolation and molecular characterization of *Candida africana* from Jos, Nigeria. 18th Congress of the International Society for Human and Animal Mycology (ISHAM) Berlin, 2012; Mycoses 55 (Suppl. 4):242.
26. Nnadi NE, Ayanbimpe GM, Ojogba OM, Scordino F, Enweani IB, Criseo G. Romeo O. Genotyping and fluconazole susceptibility of *Candida albicans* strains from patients with vulvovaginal candidiasis in Nigeria. American Society for Microbiology Congress, 112th General Meeting, San Francisco, California, 16-19 June 2012 (Poster board: 2789).
27. Scordino F, Chillemi V, Strangio S, Pellicorio C, Romeo O, Criseo G. Molecular epidemiology of *Cryptococcus* species complex in southern Italy. 29th SIMGBM Meeting; Pisa 21-23 Settembre 2011.
28. Alessi D, Romeo O, Scordino F, Criseo G. *Sporothrix schenckii* complex: New insight into molecular phylogeny and epidemiology; In: I vaccini nell'era globale. Dipartimento di patologia e microbiologia sperimentale - Università di Messina, 24-25 Marzo 2011.
29. Scordino F, Romeo O, Chillemi V, Delfino D, Criseo G. New insight into genetic diversity of *Cryptococcus neoformans*: molecular analysis of a new AD-hybrid strain. In: I vaccini nell'era globale. Dipartimento di patologia e microbiologia sperimentale - Università di Messina, 24-25 Marzo 2011.
30. Cascio A, Mandraffino G, Cinquegrani M, Delfino D, Mandraffino R, Romeo O, Criseo G, Saitta A. Paraparesi e ascessi multipli della parete addominale in un senegalese di 59 anni. 9° Congresso Nazionale della Società Italiana di Malattie Infettive e Tropicali – 24-27 Novembre 2010 - Roma.
31. Prigitano A, Esposto MC, Delfino D, Romeo O, Criseo G, Tortorano AM, Ossi C, Grancini A, Oliveti S, Grandesso S, Sanguinetti M, Montagna MT, Fadda ME, Manso E, Deiana ML, Pitzurra L, Mazzoli S, Lo Cascio G, Pavan G, Innocenti P. Looking for *Candida nivariensis* and *C. bracarensis* among a large collection of *C. glabrata* isolates: Results of the FIMUA working group. 10° Congresso nazionale FIMUA. 23-25 Settembre 2010 – Milano.
32. Strangio S, Romeo O, Scordino F, Pellicorio C, Criseo G. Environmental isolation of *Cryptococcus gattii* in southern Italy. 10° Congresso nazionale FIMUA. 23-25 Settembre 2010 – Milano.
33. Kakisi O, Romeo O, Lazaraki T, Avdeliodi K, Simou M, Criseo G, Kada H. Investigation for the newly characterized *Candida nivariensis/Candida bracarensis* among vaginal isolates in Athens, Greece. 6th panHellenic Conference of Medical Biopathology. 2010; 21-24 April(Athens, Greece).
34. Romeo O, Scordino F, Criseo G. In silico and in vitro analysis of the adhesin-encoding gene HWP1. Comunicazione orale; In: Recent progresses in post-genomics. Dipartimento di patologia e microbiologia sperimentale - Università di Messina - Messina, 24-25 Febbraio 2010.

35. Strangio S, Romeo O, Criseo G. *Candida albicans* hyphal wall protein 1 (hwp1): one gene, many possible alleles. 23-25 settembre 2009. FISV 11th National Congress - Riva del Garda, Italy.
36. Costanzo B, Romeo O, Scordino F, Criseo G. Pyrosequencing analysis of the D1-D2 region of the 28S ribosomal DNA discriminates between clinical and environmental isolates of *Sporothrix schenckii* and reveals two well-conserved nucleotide polymorphisms. 23-25 Settembre 2009. FISV 11th National Congress - Riva del Garda, Italy.
37. Romeo O, De Leo F, Criseo G. *Candida africana*: Caratteristiche fenotipiche e relazioni filogenetiche con *Candida albicans*. 9° Congresso nazionale FIMUA. 27-29 Novembre 2008 – Catania.
38. Criseo G, Scordino F, Romeo O. Differenziazione molecolare di *Candida albicans*, *Candida dubliniensis*, *Candida africana* e *Candida stellatoidea* mediante l'amplificazione del gene Hwp1. 9° Congresso nazionale FIMUA. 27-29 Novembre 2008 – Catania.
39. Criseo G, Romeo O. Epidemiologia molecolare di *C. albicans* e delle specie strettamente correlate ad essa: *C. dubliniensis* e *C. africana*. 36° Congresso Società Italiana di Microbiologia, Roma 12-15 Ottobre 2008.
40. Zungri D, Romeo O, Criseo G. Environmental diffusion of *Sporothrix schenckii*. 24-27 settembre 2008. FISV 10th National Congress - Riva del Garda, Italy.
41. Romeo O, Criseo G. New PCR identification of *Candida dubliniensis* by using a single primer pair. 26-29 Settembre 2007. FISV IX-National Congress - Riva del Garda, Italy.
42. Criseo G, Costanzo B, Romeo O. Identification of xerophilic fungi in high sugar foods. 26-29 Settembre 2007. FISV IX-National Congress - Riva del Garda, Italy.
43. Romeo O, Bolignano G, Criseo G. Indagine Retrospettiva sull'incidenza di *Candida dubliniensis* in ceppi classificati come *Candida albicans*. 8° Congresso nazionale FIMUA. 9-11 Novembre 2006 – Firenze.
44. Cordaro CG, Romeo O, Criseo G. Protective role of melanin in environmental and clinical strains of *Cryptococcus neoformans*. 28 Settembre – 1/10/2006 FISV VIII-National Congress - Riva del Garda, Italy.
45. Romeo O, Racco C, Cordaro CG, Criseo G. PCR amplification of the HWP1 gene and its homologous to distinguish *Candida albicans* from *Candida dubliniensis*. 22-25 Settembre 2005 FISV VII-National Congress - Riva del Garda, Italy.
46. Racco C, Romeo O, Cordaro CG, Criseo G. Frequency of the four structural genes (nor-1, ver-1, omt-1 and aflR) of aflatoxin non-producing strains of *A. flavus* by using quadruplex PCR biomolecular technique. 22-25 Settembre 2005 FISV-National Congress - Riva del Garda, Italy.
47. Racco C, Romeo O, Criseo G. (2006). Miceti produttori di ocratossina A in campioni di uve destinate alla vinificazione. In: Le micotossine nella filiera agro-alimentare.(Vol. 06/C8, Pp. 66). ISBN/ISSN: 0393-5620. Istituto Superiore di Sanità. Roma: M. Miraglia, V. Minardi E C. Brera (Italy).

PUBBLICAZIONE DI SEQUENZE/DATI GENOMICI IN DATABASES INTERNAZIONALI

- **2022.** *C. auris* whole-genome seq. SRA database accession n°: SRX9821358.
- **2020.** *H. werneckii* whole-genome seq. Bioproject n° PRJNA641248.
- **2020.** *S. variecibatus* whole-genome seq. SRA database accession n°: SRX8367671.
- **2020.** *S. curviconia* whole-genome seq. SRA database accession n°: SRX8367672.
- **2020.** *S. phasma* whole-genome seq. SRA database accession n°: SRX8367673.
- **2020.** *S. protearum* whole-genome seq. SRA database accession n°: SRX8367674.
- **2019.** *S. schenckii* whole transcriptome analysis: Bioproject n°: PRJNA539953.
- **2018.** *C. neoformans* EN28 genome project: Genbank accessions: CP025717 - CP025731.
- **2016.** *S. globosa* Genome project: GenBank LVYW00000000 -LVYX00000000
- **2016.** *C. africana* transcriptome assembly project: Genbank GEVV00000000.2.
- **2016.** *C. albicans* transcriptome assembly project: Genbank GEVW00000000.2.
- **2009.** *S. pallida* Genome project: GenBank JNEX00000000.

ARTICOLI CHE RECENSISCONO L'ATTIVITÀ DI RICERCA DEL Dr. ROMEO

- Hunter P. The growth of social media in science. EMBO Reports. 2020; e50550.
- Richard Van Noorden. Online Collaboration: Scientists and the social network. Nature. 2014; 512:126-129.
- Youngsuk (Y. S.) Chi (Chairman of Elsevier). The E-volution of Publishing: Challenges and Opportunities in the Digital Age. Publishing Research Quarterly. 2014; 30: 344-351.

PARAMETRI BIBLIOMETRICI

- **Citazioni totali**¹: 1659.
- **H-index**¹: 22.

¹Fonte Scopus, Giugno 2024

Dichiaro che le informazioni riportate nel presente Curriculum Vitae sono esatte e veritiere.

MESSINA, 01/07/2024

Firma
(Prof. Orazio Romeo)
