

CURRICULUM VITAE ET STUDIORUM



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome Letterio Giuffrè
Indirizzo Via ferdinando stagno d'alcontres, 31
Telefono
Fax
E-mail **Igiuffre@unime.it**
Nazionalità ITALIANA
Data di nascita 22/02/1988

ESPERIENZE PROFESSIONALI

- 22/07/2023 – presente
Rappresentante dei Ricercatori a tempo determinato in seno al Senato Accademico dell'Università degli Studi di Messina (biennio 2023-25)
- 29/12/2022 – presente
Ricercatore a tempo determinato (RtDa, art. 24, comma 3, lett. a), L. 30 dicembre 2010 n. 240) in Genetica (SSD: BIO/18), Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali, Università degli Studi di Messina.
- 25/07/2022 –26/12/2022
Borsista Ricercatore presso il Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali (ChiBioFarAm) dell'Università degli Studi di Messina coinvolto nello svolgimento del progetto di ricerca "Caratterizzazione del microbioma ambientale e della diffusione dei geni correlati alla resistenza antimicrobica negli ambienti ospedalieri"
- 01/07/2020 – 30/06/2022
Borsista Ricercatore presso il Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali (ChiBioFarAm) dell'Università degli Studi di Messina coinvolto nello svolgimento del progetto di ricerca "Genotipizzazione di ceppi clinici e ambientali di specie microbiche coinvolte nelle infezioni ospedaliere".
- 27/04/2022
Attività didattica integrativa nell'ambito del progetto di

- 06/05/2022 | alternanza scuola lavoro (PCTO) "Insieme per nuovi orizzonti" 2022, attuato dal Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali dell'Università degli Studi di Messina e l'Istituto d'Istruzione superiore Borghese Faranda

- 22/01/2020 | Attività didattica integrativa per l'insegnamento "Genetica Molecolare" del corso di Laurea Magistrale "Biologia" dell'Università degli studi di Messina

- 28/10/2018
• 27/11/2018
• 11/12/2018 | Attività didattica integrativa per l'insegnamento "Genomica animale e selezione Zootecnica" del corso di Laurea Triennale "Scienze, Tecnologie e Sicurezza delle Produzioni Animali" dell'Università degli studi di Messina

- 01/10/2016 - 30/09/2019 | Internato presso l'unità di produzione animale del Dipartimento di Scienze veterinarie dell'Università degli studi di Messina, per lo svolgimento della tesi sperimentale di dottorato, dal titolo "Caratterizzazione tassonomica e funzionale del microbiota di suini di razza Nero Siciliano mediante Shotgun Metagenome Sequencing". Tutor Prof. Enrico d'Alessandro

- 08/03/2019 – 29/05/2019 | **Trainee presso Sequentia Biotech**
Sequentia Biotech, Barcellona (Spagna)

- 21/03/2018-26/07/2018 | **Trainee presso Sequentia Biotech**
Sequentia Biotech, Barcellona (Spagna)

- 16 Marzo 2016 - 30 Settembre 2016 | Biologo Ricercatore volontario presso il laboratorio di Microbiologia degli Alimenti e Micologia Generale del Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali dell'Università degli Studi di Messina.

- Nome e indirizzo del datore di lavoro | Università degli Studi di Messina

- Tipo di azienda o settore | Università

- Tipo di impiego | Biologo Ricercatore

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

- 03/09/2020 **Cultore della Materia in Biologia Molecolare S.S.D. BIO/11**
Nomina "Cultore della Materia" per la disciplina Biologia Molecolare (S.S.D. BIO/11) presso il Dipartimento di Scienze Chimiche, Biologiche, Farmaceutiche ed Ambientali (ChiBioFarAm) dell'Università degli studi di Messina per il triennio accademico dal 1° ottobre 2020 al 30 settembre 2023.
- 12/11/2019 **Dottorato di Ricerca in Scienze Veterinarie**
Università degli studi di Messina, Messina (Italia)
Tesi: "Caratterizzazione Tassonomica e Funzionale del microbiota intestinale di suini di razza Nero Siciliano mediante Whole Shotgun Metagenome Sequencing"
- 16/01/2017 **Abilitazione Professione Biologo**
Università degli Studi di Messina, Messina (Italia)
Voto: 140/150
- 2012 – 15/03/2016 **Laurea Magistrale in Biologia LM-06**
Università degli Studi di Messina - Italia

Tesi in Genetica: Sequenziamento e analisi del profilo d'espressione dei geni coinvolti nel metabolismo dell'N-acetilglucosamina in *Candida africana*.
Relatore Chiar.mo Prof Orazio Romeo
Voto: 110/110 con Lode e Menzione Accademica
- 2007 – 17/12/2012 **Laurea Triennale in Biologia LM-13**
Università degli Studi di Messina - Italia
Tesi in Genetica: Genomica e patogenicità di *Candida parapsilosis* species complex.
Relatore Chiar.mo Prof Giuseppe Criseo
Voto: 108/110

CAPACITÀ E COMPETENZE

PERSONALI

MADRELINGUA

ITALIANA

ALTRE LINGUA

INGLESE

- Capacità di lettura
- Capacità di scrittura
- Capacità di espressione orale

OTTIMO

OTTIMO

OTTIMO

CAPACITÀ E COMPETENZE

RELAZIONALI

Ottime capacità relazionali acquisite durante tutto il mio percorso di formazione scientifica.

Mi inserisco adeguatamente nelle dinamiche del lavoro di gruppo, e presento un'ottima capacità di confronto con l'ambiente scientifico.

CAPACITÀ E COMPETENZE
ORGANIZZATIVE

Durante il mio percorso formativo ho acquisito importanti competenze gestionali e organizzative del lavoro scientifico in un laboratorio e a livello computazionale. Sono in grado di svolgere i miei compiti in maniera assolutamente indipendente e sono molto abile nella gestione di un ristretto gruppo di lavoro.

CAPACITÀ E COMPETENZE
TECNICHE

Tecniche di microbiologia classica: preparazione di terreni colturali semplici, complessi e selettivi, coltura di cellule sia batteriche che fungine, isolamento di microrganismi patogeni e ambientali, studio della sensibilità in vitro agli antimicrobici, identificazione di microrganismi mediante analisi biochimiche, fenotipiche e sierologiche.

Tecniche microbiologiche applicate all'analisi di campioni di acqua: filtrazione con apparati filtranti, conta microbica su filtro, Most probable number (MPN), identificazione dei principali contaminanti microbiologici quali, coliformi totali e fecali, streptococchi fecali, *Pseudomonas aeruginosa*, *Staphylococcus aureus*, *Legionella pneumophila*.

Tecniche microbiologiche applicate alla valutazione della carica microbica di superfici mediante campionamento con piastre rodac o tamponi.

Determinazione dei microrganismi aerodispersi mediante campionamento attivo con sistema SAS (Surface Air System) Super IAQ o Surface Air System (DUO-SAS).

Campionamento dell'aria mediante strumento Sartorius MD8 Airport Portable Air Sampler e relativa determinazione della comunità microbica mediante tecniche metagenomiche e bioinformatiche.

Tecniche di biologia molecolare: estrazione e purificazione di acidi nucleici (DNA/RNA); digestioni con enzimi di restrizione e frazionamento su gel di agarosio (RFLP); purificazione di frammenti di DNA; amplificazione in vitro del DNA (PCR, Rt-PCR, qRt-PCR); sequenziamento del DNA e analisi di elettroferogrammi;

Tecniche molecolari di identificazione e genotipizzazione microbica: (fragment length analysis), MLST (Multi Locus Sequence Typing), analisi di Microsatelliti; analisi bioinformatiche per lo studio di sequenze genomiche e proteiche con l'ausilio di specifici software bioinformatici quali MEGA7, BLAST, FINCH TV, primer design per lo studio di specie microbiche quali *Candida* spp, *Cryptococcus* spp, *Fusarium* spp., *Hortaea* spp., *Penicillium* spp. e batteriche quali *Staphylococcus aureus*, *Legionella pneumophila*, *Acinetobacter baumannii*;

Analisi bioinformatiche applicate allo studio di trascrittomi, genomi e metagenomi: Genome assembly con approccio *de novo* e *reference guided*, annotazione funzionale *de novo* e *reference guided*, analisi di dati metagenomici ottenuti con strategie di sequenziamento NGS *target-sequencing* e *whole metagenome shotgun sequencing*, assembly di trascrittomi, analisi di espressione differenziale, ricerca di long non coding RNA, tRNA, asRNA, mRNA, rRNA.

COMPETENZE DIGITALI

Ottima capacità di utilizzo di computer desktop o notebook.
Ottima padronanza nell'utilizzo dei sistemi operativi Windows 7, Windows 8, Windows 10.
Ottima conoscenza di R! per analisi statistiche.
Ottima padronanza nell'utilizzo dei sistemi operativi basati su Linux.
Ottima capacità nell'utilizzo di strumenti compresi nel pacchetto di Microsoft Office.

PATENTE O PATENTI

B

ESPERIENZE INERENTI L'ATTIVITÀ
DI RICERCA

ELENCO DEI PRODOTTI DI
RICERCA

PUBBLICAZIONI SU RIVISTE
INTERNAZIONALI

2023

1. Floridia V, Giuffrè L, Giosa D, Arfuso F, Aragona F, Fazio F, Chen C, Song C, Romeo O, D'Alessandro E. Comparison of the Faecal Microbiota Composition Following a Dairy By-Product Supplemented Diet in Nero Siciliano and Large White × Landrace Pig Breeds. *Animals* (Basel). 2023 Jul 16;13(14):2323. doi: 10.3390/ani13142323.

2022

2. Du W†, Giosa D†, Wei J†, Giuffrè L, Shi G, El Aamri L, D'Alessandro E, Hafidi M, de Hoog S, Romeo O, Huang H. Long-read PacBio genome sequencing of four environmental saprophytic *Sporothrix* species spanning the pathogenic clade. *BMC Genomics* 23, 506 (2022). doi:10.1186/s12864-022-08736-w

3. Dougue AN, El-Kholy MA, Giuffrè L, Galeano G, D'Aleo F, Kountchou CL, Nangwat C, Paul DJ, Giosa D, Pernice I, Shawky SM, Ngouana TK, Boyom FF, Romeo O. Multilocus sequence typing (MLST) analysis reveals many novel genotypes and a high level of genetic diversity in *Candida tropicalis* isolates from Italy and Africa. *Mycoses*. 2022 Jun 17. doi: 10.1111/myc.13483. Epub ahead of print. PMID:35713604.

4. Lanza M, Filippone A, Casili G, Giuffrè L, Scuderi SA, Paterniti I, Campolo M, Cuzzocrea S, Esposito E. Supplementation with SCFAs Re-Establishes Microbiota Composition and Attenuates Hyperalgesia and Pain in a Mouse Model of NTG-Induced Migraine. *Int J Mol Sci*. 2022 Apr 27;23(9):4847. doi: 10.3390/ijms23094847. PMID: 35563235.

2021

5. Giuffrè L, Giosa D, Galeano G, Aiese Cigliano R, Paytuví-Gallart A, Sutera A M, Tardiolo G, Zumbo A, Romeo O, D'Alessandro E (2021). Whole-metagenome shotgun sequencing of pig faecal microbiome. *Italian Journal of Animal Science*, 20(1), 1147-1155. doi:10.1080/1828051X.2021.1952910

2020

6. Giosa D, Felice MR, Giuffrè L, Aiese Cigliano R, Paytuví-Gallart A, Lo Passo C, Barresi C, D'Alessandro E, Huang H, Criseo G, Mora-Montes HM, de Hoog S, Romeo O. Transcriptome-wide expression profiling of *Sporothrix schenckii* yeast and mycelial forms and the establishment of the *Sporothrix* Genome DataBase. *Microb Genom*. 2020 Oct;6(10):mgen000445. doi: 10.1099/mgen.0.000445.

7. Romeo O, Marchetta A, Giosa D, Giuffrè L, Urzi C, De Leo F. Whole Genome Sequencing and Comparative Genome Analysis of the Halotolerant Deep Sea Black Yeast *Hortaea werneckii*.

- Life (Basel). 2020 Oct 2;10(10):229. doi:
10.3390/life10100229. PMID: 33023088; PMCID: PMC7601665.
- 2019
8. Scordino F, **Giuffrè L**, Felice MR, Orlando MG, Medici MA, Merlo FM, Romeo O.
Genetic diversity of *Candida albicans* isolates recovered from hospital environments and patients with severe acquired brain injuries. *Infect Genet Evol.* 2019 Oct 12:104068. doi: 10.1016/j.meegid.2019.104068.
9. E. D'Alessandro, I. Sapienza, D. Giosa, **L. Giuffrè**, A. Zumbo. In silico analysis of meat quality candidate genes among Nero Siciliano, and Italian heavy pigs genomes. *Large Animal Review* 2019; 25: 137-140.
10. E. D'Alessandro, D. Giosa, I. Sapienza, **L. Giuffrè**, R. Aiese Cigliano, O. Romeo, A. Zumbo.
Whole genome SNPs discovery in Nero Siciliano pig. *Genetics and Molecular Biology*. Accepted: 04-Jan-2019.
<https://doi.org/10.1590/1678-4685-GMB-2018-0169>
- 2018
11. Scordino F, **Giuffrè L**, Barberi G, Marino Merlo F, Orlando MG, Giosa D, Romeo O.
Multilocus Sequence Typing Reveals a New Cluster of Closely Related *Candida tropicalis* Genotypes in Italian Patients With Neurological Disorders. *Front Microbiol.* 2018 Apr 6;9:679. doi: 10.3389/fmicb.2018.00679. eCollection 2018. PubMed PMID: 29696003
- 2017
12. Felice MR, **Giuffrè L**, El Aamri L, Hafidi M, Criseo G, Romeo O, Scordino F.
Looking for new antifungal drugs from flavonoids: impact of the genetic diversity of *Candida albicans* on the in-vitro response. *Curr Med Chem.* 2017 Dec 25. doi: 10.2174/0929867325666171226102700. PubMed PMID: 29278204.
13. Giosa D, Felice MR, Lawrence TJ, Gulati M, Scordino F, **Giuffrè L**, Lo Passo C, D'Alessandro E, Criseo G, Ardell DH, Hernday AD, Nobile CJ, Romeo O.
Whole RNA-Sequencing and Transcriptome Assembly of *Candida albicans* and *Candida africana* under Chlamydospore-Inducing Conditions. *Genome Biol Evol.* 2017 Jul 1;9(7):1971-1977. Doi:10.1093/gbe/evx143.
14. Chowdhary A, Hagen F, Sharma C, Al-Hatmi AMS, **Giuffrè L**, Giosa D, Fan S, Badali H, Felice MR, de Hoog S, Meis JF, Romeo O. Whole Genome-Based Amplified Fragment Length Polymorphism Analysis Reveals Genetic Diversity in *Candida africana*. *Front Microbiol.* 2017 Apr 3;8:556. doi:10.3389/fmicb.2017.00556
- 2016
15. Felice MR, Gulati M, **Giuffrè L**, Giosa D, Di Bella LM, Criseo G, et al. (2016) Molecular Characterization of the N-Acetylglucosamine Catabolic Genes in *Candida africana*, a Natural NAcetylglucosamine Kinase (HXK1) Mutant. *PLoS ONE* 11(1): e0147902. doi:10.1371/journal.pone.0147902.

16. Rharmitt S, Hafidi M, Hajjaj H, Scordino F, Giosa D, **Giuffrè L**, Barreca D, Criseo G, Romeo O. Molecular characterization of patulin producing and non-producing *Penicillium* species in apples from Morocco. *Int J Food Microbiol.* 2016 Jan 18;217:137-40. doi: 10.1016/j.ijfoodmicro.2015.10.019.

NICAZIONI ORALI

2019 1. **L. Giuffrè**. NGS e bioinformatica per la caratterizzazione di microbiomi umani ed animali. *Biologi in-silico: una nuova generazione di professionisti nell'era della post-genomica e bioinformatica*. Messina, 14 Giugno 2019.

2017 2. **L. Giuffrè**, D. Giosa, F. scordino, I. Sapienza, G. Criseo, O. Romeo, E. D'Alessandro. Nero Siciliano pig's intestinal mycobiota: phenotypic and molecular characterization. 90° Convegno SIBS "Biologia sperimentale nella ricerca di base ed applicata all'ambiente ed alla salute umana", Trapani (27-28 Ottobre 2017). *Journal of Biological Research* 2017; 90:s1

PRESENTAZIONI A CONVEGNO

2022

1. 1. A Bonomo, G Rigano, M Lui, **L Giuffrè**, R Aiese Cigliano, O Romeo, D Giosa. *Sporothrix* genome database update and whole phylogenomic analysis. *Bioinformatics and Computational Biology Conference (BCC)*, 2022. <https://doi.org/10.7490/f1000research.1119311.1>

2. Maria Lui, Gabriele Rigano, Andrea Bonomo, **Letterio Giuffrè**, Orazio Romeo, D Giosa. *Bioinformatics analysis of six Candida parapsilosis genome assemblies obtained using whole-genome optical maps and Illumina short-read data*. *Bioinformatics and Computational biology Conference (BCC)*, 2022. <https://doi.org/10.7490/f1000research.1119306.1>

2. Domenico Giosa, **Letterio Giuffrè**, Gabriele Rigano, Maria Lui, Orazio Romeo
Whole-transcriptome analysis of *Sporothrix brasiliensis* grown in mould- and yeast-inducing conditions. 21st Congress of the International Society for Human and Animal Mycology (ISHAM), 20-24 September 2022, Hotel the Ashok, New Delhi, India

3. Viviana Florida, Grazia Galeano, **Letterio Giuffrè**, Alessandro Zumbo, Orazio Romeo and Enrico d'Alessandro
Exploring the fecal microbiota of Ragusano donkey
75° Convegno Sisvet, 2022, 15-18 Giugno, Lodi.

- 2019 4. **L. Giuffrè**. NGS e bioinformatica per la caratterizzazione di microbiomi umani ed animali. Biologi in-silico: una nuova generazione di professionisti nell'era della post-genomica e bioinformatica. Messina, 14 Giugno 2019.
- 2018 5. Scordino, G. Galeano, M.G. Orlando, G. Barberi, D. Giosa, **L. Giuffrè**, F. Marino Merlo, G. Criseo, O. Romeo. Molecular surveillance of healthcare-associated *Candida* infections in a rehabilitation center for patients with severe acquired brain injuries. ISHAM 2018, Luglio 2018, Amsterdam (Olanda). Medical Mycology, 2018, 56, S1-S159. doi: 10.1093/mmy/myy036
- 6 **L. Giuffrè'**, I Sapienza, G Criseo, O Romeo, E D'Alessandro. The Intestinal Mycobiota of Nero Siciliano Pig. ISHAM 2018, Luglio 2018, Amsterdam (Olanda). Medical Mycology, 2018, 56, S1-S159. doi: 10.1093/mmy/myy036
7. SAPIENZA Irene, GIOSA Domenico, **GIUFFRÈ' Letterio**, ROMEO Orazio, CHIOFALO Vincenzo, ZUMBO Alessandro, D'ALESSANDRO Enrico
In silico comparison of meat quality candidate genes among Nero Siciliano, Duroc, Large White and Landrace genomes. XII Convegno nazionale Biodiversità, Ambienti, Salute, Università degli Studi di Teramo 13-14-15 Giugno 2018.
- 2017 8. **L. Giuffrè**, D. Giosa, F. scordino, I. Sapienza, G. Criseo, O. Romeo, E. D'Alessandro. Nero Siciliano pig's intestinal mycobiota: phenotypic and molecular characterization. 90° Convegno SIBS "Biologia sperimentale nella ricerca di base ed applicata all'ambiente ed alla salute umana", Trapani (27-28 Ottobre 2017). Journal of Biological Research 2017; 90:s1
9. I. Sapienza, M. Pugliese, L. Sinagra, D. Giosa, **L. Giuffrè**, O. Romeo, E. D'Alessandro. Analysis of the titin-cap gene as candidate for dilated cardiomyopathy in Great Dane. 90° Convegno SIBS "Biologia sperimentale nella ricerca di base ed applicata all'ambiente ed alla salute umana", Trapani (27-28 Ottobre 2017). Journal of Biological Research 2017; 90:s1
10. I. Sapienza, C. Rifichi, A. Sanfilippo, **L. Giuffrè**, D. Giosa, O. Romeo, E. D'Alessandro. c-KIT mutation analysis and its relationship with degree of aggression in mast cell tumors in two dog breeds. 90° Convegno SIBS "Biologia sperimentale nella ricerca di base ed applicata all'ambiente ed alla salute umana", Trapani (27-28 Ottobre 2017). Journal of Biological Research

2017; 90:s1

11. D. Giosa, A. Zumbo, I. Sapienza, **L. Giuffrè**, R. Aiese Cigliano, O. Romeo, E. D'Alessandro
Whole genome SNPS discovery and analysis of genetic diversity in Nero Siciliano Pig. 90° Convegno SIBS "Biologia sperimentale nella ricerca di base ed applicata all'ambiente ed alla salute umana", Trapani (27-28 Ottobre 2017). Journal of Biological Research 2017; 90:s1

12. D. Giosa, **L. Giuffrè**, R. Aiese Cigliano, M.R. Felice, G. Criseo, E. D'Alessandro, O. Romeo
Bioinformatics Analysis of Next Generation Sequencing data in Microbiology.
"Biologia sperimentale nella ricerca di base ed applicata all'ambiente ed alla salute umana", Trapani (27-28 Ottobre 2017). Journal of Biological Research 2017; 90:s1

2016

13. D. Giosa, M.R. Felice, **L. Giuffrè**, F. Scordino, C. Lo Passo, G. Criseo, E. D'Alessandro, O. Romeo.
Whole mRNA Sequencing and Transcriptome Assembly of *Candida albicans* and *Candida africana* under Chlamydospores-Inducing Conditions. 89th SIBS National Congress on Climate and Life Ozzano dell'Emilia (BO), Italy, 1-2 December 2016. Journal of Biological Research 2016; 89:s1

14. D. Giosa, I. Sapienza, **L. Giuffrè**, O. Romeo, E. D'Alessandro.
Towards *KIT* and *RXFP2* Genes Snps Discovery in Goat (*Capra hircus*) using NGS Technology Approach. 89th SIBS National Congress on Climate and Life Ozzano dell'Emilia (BO), Italy, 1-2 December 2016.
Journal of Biological Research 2016; 89:s1.

15. **L. Giuffrè**, D. Giosa, F. Scordino, G. Criseo, E. D'Alessandro, O. Romeo, M.R. Felice.
Sequencing and Preliminary Analysis of Genes Involved in Iron Metabolism in *Candida africana* CBS 11016 strain. 89th SIBS National Congress on Climate and Life Ozzano dell'Emilia (BO), Italy, 1-2 December 2016. Journal of Biological Research 2016; 89:s1.

16. L. El Aamri, M. Hafidi, G. Criseo, **L. Giuffrè**, H. Ghalfi, C. Barresi, M.G. Orlando, A. Lebrihi, D. Giosa, O. Romeo.
Molecular Identification of Lipase Producing Yeast Isolated from Moroccan Strawberry and Olive Pomace. 89th SIBS National Congress on Climate and Life Ozzano dell'Emilia (BO), Italy, 1-2 December 2016. Journal of Biological Research 2016; 89:s1.

2015

17. Rharmitt S, Hafidi M, Hajjaj H, Giosa D, **Giuffrè L**, Barreca D, Criseo G, Scordino F, Romeo O.
Molecular and biochemical characterization of patulin producing and non-producing *Penicillium* species in apple fruits from Morocco. 37th Mycotoxin workshop, 1-3 June 2015, Bratislava, Slovakia.

18. F. Scordino, D. Delfino, A.D. van Diepeningenc, **L. Giuffrè**, C. Lo Passo, A. Cascio, G. Criseo, O. Romeo.

Microsatellite-based genotyping of *Candida glabrata* isolates reveals close genetic relatedness among African and Italian genotypes. 25th ECCMID; 25-28 April 2015 Copenhagen, Denmark. Session EV33 Mycology.

CORSI

1. Biologi in-silico: una nuova generazione di professionisti nell'era della post-genomica e bioinformatica. Messina, 14 Giugno 2019.
2. 20th Congress of the International Society for Human and Animal Mycology Amsterdam, Olanda, 30 June - 4 July, 2018
3. 90° Convegno SIBS - BIOLOGIA SPERIMENTALE NELLA RICERCA DI BASE E APPLICATA ALL'AMBIENTE E ALL'UOMO 27-28 Ottobre 2017 - Università degli Studi di Palermo - Polo Territoriale Universitario di Trapani.
4. Convegno: SMART SCIENCE "Le nuove frontiere del sequenziamento NGS: tecnologie e prodotti a confronto". Catania (Italia), 18 Maggio 2017
5. 89° Convegno SIBS (Società Italiana di Biologia Sperimentale) "Clima e Vita". Ozzano dell'Emilia (Bo), 1-2 Dicembre 2016.
6. Seminario: Nuove piattaforme genetiche nella ricerca e nella diagnostica. Messina, 23 settembre 2015
7. Corso "Next Generation Sequencing and Bioinformatics: Methods, Tools and Applications in Basic Research, Clinical Diagnostics and much more".
Messina 27-28/05/2016
7. Seminario "Entomologia Forense". Messina 18/06/2015
8. Corso "Gastroenteriti ad eziologia batterica".

Messina 28/06/2015

9. Corso "Biologia Forense nel Processo Civile e Penale".

Reggio Calabria 20/06/2014

10. Corso "Il Biologo: figura dinamica nel mondo del lavoro". Messina 06/11/2013

Sequenze Depositare su GenBank

KP052779.1	KP052780.1	KP165328.1	KP165330.1.
KP165331.1	KP193952.1	KP193954.1	KP193955.1
KP193956.1	KP193958.1	KP193959.1	GEVW00000000.2
GEVW00000000.2	MF972225.1		
MF972224.1	MF598756.1	MF598755.1	KX512297.1
KY971462.1	KY971461.1	KX512302.1	KX512301.1
KX512300.1	KX512299.1	KX512298.1	KX512296.1
KX431900.1	SRX9490434	SRX9490433	SRX9490432

Genomi depositati su GenBank

GCA_016097085.2	GCA_016097105.2	GCA_016097115.2
GCA_016097075.2	JAENJK000000000.1	JACSRB010000001.1

DATI PERSONALI

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali".

Messina, 06/09/2023

Firma

Letterio Giuffrè

Il sottoscritto Letterio Giuffrè nato a Messina (ME) il 22/02/1988, residente a Messina (ME) in Via Vecchia Paradiso N° 113, dichiara di essere consapevole della responsabilità penale prevista, dall'art. 76 dell'art del D.P.R. 445/2000, per le ipotesi di falsità in atti e dichiarazioni mendaci ivi indicate.

Messina, 06/09/2023

Firma

Letterio Giuffrè